



Questo documento e il suo contenuto sono di proprietà di Illumina, Inc. e delle aziende ad essa affiliate ("Illumina") e sono destinati esclusivamente ad uso contrattuale da parte dei clienti di Illumina, per quanto concerne l'utilizzo dei prodotti qui descritti, con esclusione di qualsiasi altro scopo. Questo documento e il suo contenuto non possono essere usati o distribuiti per altri scopi e/o in altro modo diffusi, resi pubblici o riprodotti, senza previa approvazione scritta da parte di Illumina. Mediante questo documento, Illumina non trasferisce a terzi alcuna licenza ai sensi dei suoi brevetti, marchi, copyright, o diritti riconosciuti dal diritto consuetudinario, né diritti simili di alcun genere.

Al fine di assicurare un uso sicuro e corretto dei prodotti qui descritti, le istruzioni riportate in questo documento devono essere scrupolosamente ed esplicitamente seguite da personale qualificato e adeguatamente formato. Leggere e comprendere a fondo tutto il contenuto di questo documento prima di usare tali prodotti.

LA LETTURA INCOMPLETA DEL CONTENUTO DEL PRESENTE DOCUMENTO E IL MANCATO RISPETTO DI TUTTE LE ISTRUZIONI IN CONTENUTE POSSONO CAUSARE DANNI AL/I PRODOTTO/I, LESIONI PERSONALI A UTENTI E TERZI E DANNI MATERIALI E RENDERANNO NULLA QUALSIASI GARANZIA APPLICABILE AL/I PRODOTTO/I.

ILLUMINA NON SI ASSUME ALCUNA RESPONSABILITÀ DERIVANTE DALL'USO IMPROPRIO DEL/DEI PRODOTTO/I QUI DESCRITTI (INCLUSI SOFTWARE O PARTI DI ESSO).

© 2018 Illumina, Inc. Tutti i diritti riservati.

Tutti i marchi di fabbrica sono di proprietà di Illumina, Inc. o dei rispettivi proprietari. Per informazioni specifiche sui marchi di fabbrica, visitare la pagina Web [www.illumina.com/company/legal.html](http://www.illumina.com/company/legal.html).

## Cronologia revisioni

Documento n.	Data	Descrizione della modifica
Materiale n. 20024228 Documento n. 15027617 v03	Maggio 2018	<p>Rimossi nome utente e password predefiniti richiesti per l'accesso al sistema operativo. Illumina raccomanda di utilizzare le credenziali specifiche per il laboratorio.</p> <p>Sono state aggiunte informazioni sul servizio di monitoraggio Illumina Proactive nella sezione Personalizzazione delle impostazioni del sistema.</p> <p>È stata aggiunta una nota sullo scomparto reagenti riguardante l'intervallo di temperatura richiesto per il vano refrigerato.</p> <p>È stato nuovamente aggiunto MiSeq Reporter e sono stati rimossi i riferimenti a Local Run Manager.</p> <p>È stato cambiato il nome della guida da Guida del sistema di sequenziamento MiSeq a Guida del sistema MiSeq.</p> <p>Modifiche di minore entità al testo.</p>
Materiale n. 20024228 Documento n. 15027617 v02	Gennaio 2018	<p>Aggiunte nuove opzioni di configurazione della corsa per le modalità Local Run Manager, Sample Sheets (Fogli campioni) e Manual (Manuale).</p> <p>Sostituiti i riferimenti a MiSeq Reporter con Local Run Manager.</p> <p>Aggiunta la sezione Risoluzione degli intervalli di temperatura del vano refrigerato per i reagenti all'Appendice contenente la Risoluzione dei problemi.</p> <p>Aggiunte nuove istruzioni per la raccolta dei dati delle prestazioni dello strumento nella sezione Personalizzazione delle impostazioni del sistema.</p> <p>Cambiato il nome della guida da Guida del sistema MiSeq a Guida del sistema di sequenziamento MiSeq.</p>

Documento n.	Data	Descrizione della modifica
Materiale n. 20000262 Documento n. 15027617 v01	Settembre 2015	<p>Cambiato il nome della guida da Guida per l'utente del sistema MiSeq a Guida del sistema MiSeq.</p> <p>Nuovo in MCS v2.6, aggiunte le informazioni su BaseSpace Onsite.</p> <p>Riorganizzate le informazioni della guida per concentrarsi sui compiti piuttosto che sulle schermate.</p> <p>Tutti i riferimenti alla schermata Welcome (Benvenuto) sono stati cambiati in schermata Home (Inizio).</p> <p>Aggiunte le informazioni contenute nelle guide di preparazione dei reagenti per MiSeq Reagent Kit, inclusi tipi di cella a flusso, contenuti della cartuccia di reagenti e indicazioni per lo scongelamento della cartuccia di reagenti.</p> <p>Per tutte le altre informazioni relative a MiSeq Reagent Kit, consultare il sito Web Illumina all'indirizzo <a href="http://support.illumina.com/sequencing/sequencing_kits/miseq_reagent_kit.html">support.illumina.com/sequencing/sequencing_kits/miseq_reagent_kit.html</a>.</p> <p>Corretto il volume di lavaggio previsto di un lavaggio di manutenzione da 17,25 ml a 51,75 ml.</p> <p>Aggiornato l'ordine delle fasi del flusso di lavoro per preparare per prima la cartuccia di reagenti e, se richiesto, denaturare e diluire le librerie.</p> <p>Spostate le informazioni sulla risoluzione dei problemi nell'Appendice A.</p> <p>Spostate le informazioni sulla cartella di output e le informazioni sulle tile della cella a flusso nell'Appendice B.</p> <p>Spostate le informazioni sulla gestione dei file nel capitolo Manutenzione.</p> <p>Spostate le istruzioni per il lavaggio post-corsa dal capitolo Manutenzione al capitolo Sequenziamento.</p> <p>Il nome del capitolo Esecuzione di una corsa si chiama ora Sequenziamento.</p> <p>Modificati i riferimenti dall'analisi primaria all'analisi eseguita dal software RTA.</p> <p>Aggiornate le istruzioni sulla diluizione per la procedura di lavaggio post-corsa con un lavaggio della linea del template da NaOCl al 6% a NaOCl al 5%.</p> <p>Aggiunto un numero di codice per NaOCl al 5% nell'elenco dei materiali di consumo forniti dall'utente.</p>
N. codice 15027617 Rev. O	Settembre 2014	<p>Aggiornate le seguenti informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Nuovo in MCS v2.5, aggiornata l'opzione di lavaggio post-corsa per includere un lavaggio della linea del template</li> <li>• Aggiunte le indicazioni per un lavaggio post-corsa con ipoclorito di sodio al lavaggio della linea del template</li> <li>• Aggiunto il volume di lavaggio previsto per un lavaggio post-corsa</li> </ul> <p>Aggiunte le informazioni per il flusso di lavoro VeriSeq PGS relative a fonti, opzioni della corsa, opzioni di analisi secondaria, lavaggi dello strumento e colore del tappo della cella a flusso.</p>

Documento n.	Data	Descrizione della modifica
N. codice 15027617 Rev. N	Giugno 2014	<p>Aggiunte le informazioni applicabili al flusso di lavoro VeriSeq PGS.</p> <p>Aggiunte le informazioni sulle metriche della corsa per la generazione di cluster e la densità cluster.</p> <p>Rimosse le informazioni relative al software antivirus. Vedere la <i>Guida alla preparazione della sede di installazione del sistema MiSeq</i></p>
N. codice 15027617 Rev. M	Gennaio 2014	<p>Aggiornato in base alla modifica introdotta in MCS v2.4:</p> <p>Aggiunta la funzione Bundle Logs (Raggruppa file di registro) per inviare i file per la risoluzione dei problemi.</p>
N. codice 15027617 Rev. L	Ottobre 2013	<p>Aggiunto il riavvio del software del sistema come passaggio pre-corsa.</p> <p>Aggiunte le provette per microcentrifuga all'elenco dei materiali di consumo forniti dall'utente.</p> <p>Eliminato <i>MiSeq Software</i> come capitolo separato e distribuiti i contenuti del capitolo in tutta la guida.</p> <p>Rimosse le informazioni relative alle cartelle per le ricette personalizzate.</p> <p>Rimosse le informazioni relative agli intervalli della densità dei cluster raccomandati per i kit di reagenti MiSeq.</p> <p>Rimossi i dettagli relativi ai kit di reagenti MiSeq e aggiunta una descrizione generale delle caratteristiche del kit di reagenti. Per informazioni dettagliate, vedere la documentazione per la preparazione dei reagenti per il kit in uso.</p> <p>Aggiunto il contenuto relativo all'avviso sui marchi di fabbrica.</p>
N. codice 15027617 Rev. K	Agosto 2013	Corretti errori di formattazione.
N. codice 15027617 Rev. J	Agosto 2013	<p>Aggiunte le descrizioni della corsa per MCS v2.3 e per MiSeq Reagent Kit v3.</p> <p>Aggiornate le seguenti informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Compatibilità della versione e dei kit di reagenti per includere MiSeq Reagent Kit v3</li> <li>• Descrizione della cartella Custom Recipes (Ricette personalizzate) per includere una sottocartella v.3</li> <li>• Cambiato l'intervallo per la densità cluster per v2; aggiunto l'intervallo per v3</li> <li>• Percorso di output per i file delle immagini</li> </ul> <p>Corretti i codici a barre delle celle a flusso per le celle a flusso nano (D) e le celle a flusso micro (G).</p> <p>Rimosse le informazioni relative a MiSeq Reagent Kit, inclusi i tipi di cella a flusso e i contenuti. Per maggiori informazioni, vedere la <i>Guida di preparazione dei reagenti MiSeq (documento n. 15044983)</i>.</p>

Documento n.	Data	Descrizione della modifica
N. codice 15027617 Rev. H	marzo 2013	<p>Aggiunta la sezione intitolata <i>Concetti di MiSeq</i> che introduce il flusso di lavoro di analisi, il file manifest e il foglio campioni.</p> <p>Rimosse le informazioni relative alla generazione del file FASTQ, ai formati file manifest, ai dettagli del flusso di lavoro di analisi e ai dettagli del foglio campioni. Per informazioni relative a questi argomenti, vedere la <i>Guida per l'utente di MiSeq Reporter</i>, codice n. 15028784 oppure la <i>Guida di consultazione rapida per il foglio campioni MiSeq</i>, codice n. 15028392</p> <p>Rimosse le istruzioni per la preparazione dei primer personalizzati. Per maggiori informazioni, vedere <i>Utilizzo di primer personalizzati su MiSeq</i>, codice n. 15041638.</p>
N. codice 15027617 Rev. G	Gennaio 2013	<p>Rimosse le istruzioni per denaturare e diluire le librerie di DNA e per preparare un campione di controllo PhiX Illumina. Vedere <i>Preparazione delle librerie di DNA per il sequenziamento su MiSeq</i>, codice n. 15039740.</p> <p>Aggiornate le istruzioni di lavaggio dello strumento per aggiungere 25 ml di Tween 20 al 10% a 475 ml di acqua da laboratorio, invece di 500 ml di acqua da laboratorio.</p>
N. codice 15027617 Rev. F	Novembre 2012	<p>Aggiunte le seguenti nuove informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Aggiunte le descrizioni per i nuovi kit di reagenti MiSeq: MiSeq Reagent Nano Kit e MiSeq Reagent Micro Kit</li> <li>• Aggiunta la panoramica relativa ai tipi di cella a flusso</li> <li>• Aggiunta la descrizione del flusso di lavoro di analisi Enrichment (Arricchimento)</li> </ul> <p>Aggiornate le seguenti informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Nuovo in MCS v2.1, aggiornata la schermata Perform Wash (Esecuzione lavaggio) per aggiungere un'opzione di lavaggio post-corsa e un comando per sollevare i pescanti</li> <li>• Aggiornata la tabella relativa alla compatibilità delle versioni per includere le dipendenze dei kit nano e micro</li> <li>• Aggiornate le informazioni relative alla compatibilità delle versioni per includere nuovi kit di reagenti</li> </ul>
N. codice 15027617 Rev. E	Ottobre 2012	<p>Aggiornate le seguenti informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Corrette le istruzioni per la preparazione del campione di controllo PhiX e la densità cluster prevista del campione di controllo PhiX preparato a 1.000-1.200 K/mm<sup>2</sup></li> <li>• Segnalato che la procedura per denaturare e diluire le librerie, indicata in <i>Preparazione delle librerie</i>, non si applica alle librerie Nextera XT e TruSeq Amplicon</li> <li>• Cambiato il nome dell'aggiornamento da MiSeq Expansion Pack a MiSeq Hardware Upgrade</li> <li>• Aggiunta la <i>Guida per l'utente di MiSeq Reporter</i> all'elenco delle Risorse aggiuntive.</li> </ul>

Documento n.	Data	Descrizione della modifica
N. codice 15027617 Rev. D	Luglio 2012	<p>Aggiornate le descrizioni software in base a MCS v2.0.            Aggiunte le seguenti nuove informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Aggiunta una sezione intitolata <i>Novità in MCS</i> per descrivere le nuove funzioni software, le modifiche all'interfaccia e le modifiche al flusso di lavoro</li> <li>• Aggiunto il numero di catalogo e la descrizione di MiSeq Reagent Kit v2, 500 cicli</li> <li>• Aggiunta la sezione sulla compatibilità della versione e i requisiti</li> <li>• Aggiunta la descrizione di MiSeq Expansion Pack, che è necessario per l'imaging a 14 tile con cella a flusso a superficie doppia</li> <li>• Aggiunta la descrizione della numerazione delle tile con cella a flusso a superficie doppia</li> <li>• Aggiunto il flusso di lavoro di analisi PCR Amplicon per le librerie Nextera XT</li> <li>• Aggiunto l'uso di Tween 20 al 10% nelle procedure di lavaggio e i volumi di lavaggio previsti</li> <li>• Aggiunta la versione della cartuccia di reagenti alla procedura di errore di lettura dell'etichetta RFID</li> </ul> <p>Aggiornate le seguenti informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Modificati gli acronimi per i reagenti IMF, CMF e AMX ai nomi dei reagenti v2 IMS, CMS e AMS, rispettivamente</li> <li>• Modificata la concentrazione di PhiX da 8 pM a 12,5 pM</li> <li>• Modificata a 1 mM la concentrazione massima consigliata per NaOH nella soluzione finale</li> <li>• Segnalato che per far uscire lo strumento dalla modalità standby e iniziare le fasi d'impostazione di una corsa successiva è necessario un lavaggio di manutenzione</li> <li>• Rimossa la sezione Parametri del foglio campioni e rimossa la fase d'impostazione del foglio campioni nel flusso di lavoro; Illumina consiglia di creare il foglio campioni prima della preparazione dei campioni (vedere la <i>Guida di consultazione rapida per il foglio campioni MiSeq</i>, codice n. 15028392 e la <i>Guida per l'utente di Illumina Experiment Manager</i>, codice n. 15031335).</li> </ul>

Documento n.	Data	Descrizione della modifica
N. codice 15027617 Rev. C	Aprile 2012	<p>Aggiornate le descrizioni software in base a MCS v1.2            Aggiunte le seguenti nuove procedure e sezioni: Panoramica su BaseSpace, Utilizzo dei primer personalizzati, Generazione dei file FASTQ, Risoluzione dei problemi su errore portata, Esecuzione di un test volume, Esecuzione di un lavaggio di manutenzione e Porre lo strumento nello stato inattivo (idle), che include un lavaggio di standby.            Aggiornate le seguenti informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Aggiornato il nome del flusso di lavoro Amplicon a Custom Amplicon; aggiornato il nome del flusso di lavoro DenovoAssembly ad Assembly; aggiunto il flusso di lavoro GenerateFASTQ</li> <li>• Aggiunte le descrizioni delle cartelle e dei file della corsa; aggiornata l'assegnazione del nome alla cartella della corsa; aggiunta la dimensione del file di output</li> <li>• Elencata la cartella dei genomi come richiesta per il sequenziamento degli ampliconi in Parametri del foglio campioni</li> <li>• Aggiunte le istruzioni per la diluizione di NaOH per la denaturazione delle librerie</li> <li>• Aggiornata la risoluzione degli errori di lettura dell'etichetta RFID includendo istruzioni per MiSeq Self-Service (Self-service MiSeq)</li> <li>• Elencati i file e le cartelle utilizzati per la risoluzione dei problemi delle prestazioni della corsa</li> </ul>
N. codice 15027617 Rev. B	Dicembre 2011	<p>Aggiornate le descrizioni software in base a MCS v1.1            Aggiunte informazioni sulla protezione antivirus            Aggiornate le seguenti informazioni:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Istruzioni per risolvere l'errore di lettura dell'etichetta RFID</li> <li>• Preparazione delle librerie: cambiato a 0,2 N NaOH</li> <li>• Convenzione per l'assegnazione del nome alla cartella della corsa</li> <li>• Spazio su disco necessario e capacità di memorizzazione</li> <li>• Fasi d'impostazione della corsa: aggiunte maggiori informazioni in Impostazione del foglio campioni</li> <li>• Fasi d'impostazione della corsa: aggiunta la nota per lo smaltimento di PR2 residuo</li> <li>• Durata dell'analisi: aggiunto quando l'analisi dura più di due ore</li> <li>• Requisiti per l'input dell'analisi: elencati i file manifest come richiesto per le librerie TruSeq Custom Amplicon</li> <li>• Corretta la dimensione della provetta HT1 in Contenuti di MiSeq Reagent Kit</li> <li>• Modificati i riferimenti ad iCom con Myllumina</li> </ul>
N. codice 15027617 Rev. A	Settembre 2011	Versione iniziale



# Sommario

<b>Capitolo 1 Descrizione generale</b> .....	<b>1</b>
Introduzione .....	1
Risorse aggiuntive .....	2
Componenti del sistema .....	3
Concetti di MiSeq .....	5
Software del sistema .....	6
Opzioni per l'analisi secondaria .....	7
Sequencing Analysis Viewer (SAV) .....	9
Spazio su disco necessario .....	9
Descrizione generale di MiSeq Reagent Kit .....	9
<b>Capitolo 2 Informazioni preliminari</b> .....	<b>13</b>
Avvio di MiSeq .....	13
Personalizzazione delle impostazioni del sistema .....	13
Configurazione delle notifiche per gli aggiornamenti di BaseSpace .....	14
Impostazione delle preferenze per le notifiche via e-mail .....	14
Impostazione delle posizioni predefinite per le cartelle .....	15
Materiali di consumo forniti dall'utente .....	15
<b>Capitolo 3 Sequenziamento</b> .....	<b>17</b>
Introduzione .....	17
Durata della corsa .....	17
Flusso di lavoro di MiSeq .....	18
Scongellamento della cartuccia di reagenti .....	19
Ispezione della cartuccia di reagenti .....	19
Denaturazione e diluizione delle librerie .....	20
Caricamento delle librerie dei campioni .....	20
Impostazione di una corsa utilizzando MCS .....	21
Pulizia della cella a flusso .....	21
Caricamento della cella a flusso .....	23
Caricamento reagenti .....	24
Avvio della corsa .....	26
Monitoraggio della corsa .....	27
Esecuzione di un lavaggio post-corsa .....	29
<b>Capitolo 4 Manutenzione</b> .....	<b>35</b>
Frequenza di manutenzione .....	35
Frequenza di manutenzione per il flusso di lavoro VeriSeq PGS .....	35
Esecuzione di un lavaggio di manutenzione .....	36
Esecuzione di un lavaggio di standby .....	38
Manage Files (Gestione file) .....	40
Aggiornamenti del software .....	41
Spegnimento dello strumento .....	42

<b>Appendice A Risoluzione dei problemi</b> .....	<b>43</b>
Introduzione .....	43
Bundle Logs (Raggruppa file di registro) per la risoluzione dei problemi .....	43
Esecuzione di una verifica del sistema .....	45
Sospensione o arresto di una corsa .....	45
Sollevamento manuale dei pescanti della cartuccia di reagenti .....	46
Risoluzione degli errori d'impostazione corsa .....	47
Risoluzione degli errori di lettura dell'etichetta RFID .....	47
Esecuzione di Volume Test (Test volume) .....	48
Misurazione dei volumi di lavaggio previsti .....	49
Configurazione delle impostazioni del sistema .....	50
<b>Appendice B File e cartelle di output</b> .....	<b>51</b>
Cartelle delle corse .....	51
Contenuti della cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq) .....	51
Cartelle e file di RTA .....	53
<b>Indice</b> .....	<b>55</b>
<b>Assistenza Tecnica</b> .....	<b>59</b>

# Capitolo 1 Descrizione generale

Introduzione .....	1
Risorse aggiuntive .....	2
Componenti del sistema .....	3
Concetti di MiSeq .....	5
Software del sistema .....	6
Opzioni per l'analisi secondaria .....	7
Sequencing Analysis Viewer (SAV) .....	9
Spazio su disco necessario .....	9
Descrizione generale di MiSeq Reagent Kit .....	9

## Introduzione

Il sistema MiSeq® Illumina® unisce la sperimentata tecnologia di sequenziamento mediante sintesi (Sequencing By Synthesis, SBS) Illumina con un flusso di lavoro rivoluzionario che consente di ottenere dati analizzati da campioni di DNA in appena otto ore. MiSeq integra in un solo strumento generazione di cluster, sequenziamento e analisi dei dati.

## Caratteristiche

- ▶ **Automazione completa:** dopo aver ultimato l'impostazione della corsa, che comprende il caricamento della cartuccia di reagenti pre-riempita, del flacone del tampone e della cella a flusso, non sono necessari altri interventi manuali.
- ▶ **Cartuccia di reagenti pre-riempita:** una cartuccia monouso di speciale progettazione pre-riempita con i reagenti necessari per la generazione di cluster e il sequenziamento, compresi i reagenti per il sequenziamento paired-end e i reagenti di indicizzazione. L'identificazione a radiofrequenza (Radio-Frequency Identification, RFID) integrata consente il monitoraggio accurato dei materiali di consumo.
- ▶ **Controlli dell'interfaccia:** l'interfaccia di MiSeq Control Software (MCS) permette di controllare la configurazione dello strumento, l'impostazione e il monitoraggio delle corse nonché l'esecuzione delle procedure di manutenzione.
- ▶ **Facile caricamento della cella a flusso:** quando la cella a flusso viene caricata sullo strumento, un meccanismo a morsetti posiziona automaticamente la cella a flusso. L'identificazione a radiofrequenza (RFID) integrata consente il monitoraggio accurato dei materiali di consumo.
- ▶ **Architettura innovativa della fluidica:** il sistema di fluidica di MiSeq dispone di un'efficienza senza precedenti durante il ciclo della chimica nella fase di sequenziamento.
- ▶ **Real-Time Analysis (RTA):** il software di analisi integrato che esegue l'analisi dei dati integrata sullo strumento in tempo reale durante la corsa di sequenziamento, comprende l'analisi delle immagini e l'identificazione delle basi, accelerando di conseguenza i tempi di analisi a valle.
- ▶ **Software di analisi secondaria integrato:** il software MiSeq Reporter elabora i dati ottenuti dall'analisi RTA per eseguire l'allineamento e fornire informazioni su ogni campione analizzato.

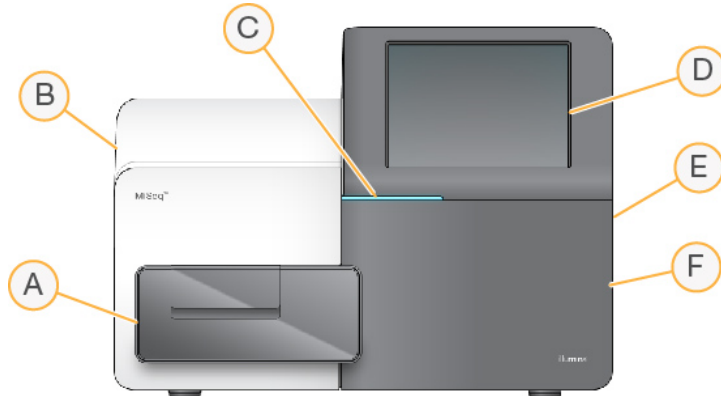
## Risorse aggiuntive

Le [pagine di supporto del sistema MiSeq](#) sul sito Web Illumina forniscono risorse aggiuntive. Tali risorse includono software, formazione, prodotti compatibili e la seguente documentazione. Controllare sempre le pagine di supporto per verificare le ultime versioni disponibili.

Risorsa	Descrizione
<i>Guida alla preparazione della sede di installazione del sistema MiSeq (documento n. 15027615)</i>	Fornisce le specifiche relative ai locali del laboratorio, i requisiti elettrici e ambientali.
<i>Guida sulla sicurezza e conformità del sistema MiSeq (documento n. 15027616)</i>	Fornisce informazioni sulla etichettatura dello strumento, le certificazioni di conformità e gli aspetti relativi alla sicurezza.
<i>Guida per l'utente di Illumina Experiment Manager (documento n. 15031335)</i>	Fornisce istruzioni per la creazione delle piastre campioni e dei fogli campioni per diversi flussi di lavoro e tipi di librerie.
<i>Guida per l'utente di BlueFuse Workflow Manager (documento n. 100000028842)</i>	Fornisce istruzioni per la creazione di piastre campioni e fogli campioni da utilizzare con il flusso di lavoro VeriSeq PGS.
<i>Guida di consultazione rapida del foglio campioni MiSeq (documento n. 15028392)</i>	Fornisce informazioni su come aggiungere impostazioni del foglio campioni al foglio campioni.
<i>Guida alla denaturazione e alla diluizione delle librerie del sistema MiSeq (documento n. 15039740)</i>	Fornisce istruzioni per denaturare e diluire le librerie dei campioni preparate prima del sequenziamento su MiSeq e per preparare un campione di controllo PhiX. Questa fase si applica alla maggior parte dei tipi di librerie.
<i>Guida ai primer personalizzati MiSeq (documento n. 15041638)</i>	Fornisce istruzioni per preparare e caricare i primer personalizzati e per modificare il foglio campioni per i primer personalizzati.
<i>Guida per l'utente di MiSeq Reporter (documento n. 15042295)</i>	Fornisce una panoramica completa su procedure di analisi, flussi di lavoro di analisi e file di output generati da MiSeq Reporter, come anche requisiti di sistema, istruzioni per l'installazione su computer non integrati e informazioni relative alla risoluzione dei problemi.
<i>Guida online di MiSeq Reporter</i>	Fornisce istruzioni per l'uso dell'interfaccia del software MiSeq Reporter.
<i>Guida del software BlueFuse Multi (documento n. 15053620)</i>	Fornisce una panoramica completa su procedure di analisi, flussi di lavoro di analisi e file generati da BlueFuse Multi, nonché requisiti di calcolo e informazioni sulla risoluzione dei problemi. Utilizzare questa guida con il flusso di lavoro VeriSeq PGS.
<i>Guida per l'utente di BaseSpace (documento n. 15044182)</i>	Fornisce informazioni sull'utilizzo di BaseSpace e descrizioni dei grafici generati da ogni flusso di lavoro di analisi.
<i>Guida del sistema BaseSpace Onsite (documento n. 15049148)</i>	Fornisce istruzioni per l'utilizzo del sistema BaseSpace Onsite.

## Componenti del sistema

MiSeq comprende un monitor touch screen, una barra di stato, un interruttore di alimentazione con accanto porte USB e tre scomparti.



- A **Scomparto della cella a flusso:** contiene il piano portacelle che ospita la cella a flusso durante l'esecuzione della corsa. I motori del piano portacelle fanno fuoriuscire il piano dal modulo ottica incorporato per permettere il caricamento della cella a flusso e il successivo riposizionamento in sede all'avvio della corsa.
- B **Scomparto ottico incorporato:** contiene i componenti ottici che consentono l'imaging della cella a flusso.
- C **Barra di stato:** indica lo stato della cella a flusso come pronta per il sequenziamento (verde), in elaborazione (blu) o necessità di attenzione (arancione).
- D **Monitor touch screen:** visualizza l'interfaccia del software di controllo per la configurazione del sistema e l'impostazione della corsa.
- E **Porte USB esterne:** facilita il trasferimento dei file e dei dati al computer dello strumento attraverso il monitor touch screen.
- F **Scomparto reagenti:** contiene i reagenti alla corretta temperatura, le soluzioni di lavaggio e un flacone dei reagenti usati. Un dispositivo magnetico chiude lo sportello dello scomparto reagenti.

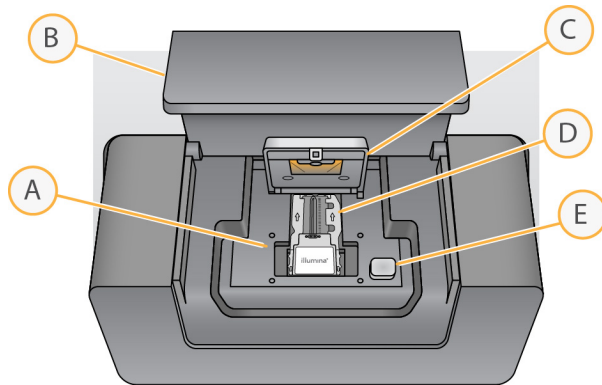
L'interfaccia di MiSeq guida gli utenti durante tutta la procedura d'impostazione della corsa mediante il monitor touch screen. Per caricare i componenti della corsa, è necessario accedere allo scomparto reagenti e allo scomparto della cella a flusso.

## Scomparto della cella a flusso

Lo scomparto della cella a flusso contiene il piano portacelle, la stazione termica e le connessioni della fluidica alla cella a flusso. Il piano portacelle alloggia la cella a flusso e il coperchio a scatto, inoltre fissa e tiene in posizione la cella a flusso. Quando il coperchio a scatto si chiude, due perni accanto alla cerniera posizionano automaticamente la cella a flusso.

La stazione termica, situata sotto il piano portacelle, controlla le variazioni di temperatura della cella a flusso, necessarie per la generazione di cluster e il sequenziamento.

**Figura 1** Scomparto della cella a flusso



- A Piano portacelle
- B Sportello dello scomparto della cella a flusso
- C Coperchio a scatto
- D Cella a flusso
- E Pulsante di sblocco del coperchio a scatto

## Scomparto reagenti

Lo scomparto reagenti comprende un vano refrigerato per i reagenti e le posizioni per il flacone contenente il tampone di lavaggio (PR2) e il flacone degli scarti. Per mantenere una temperatura costante, aprire e chiudere il vano refrigerato per i reagenti solo quando richiesto.



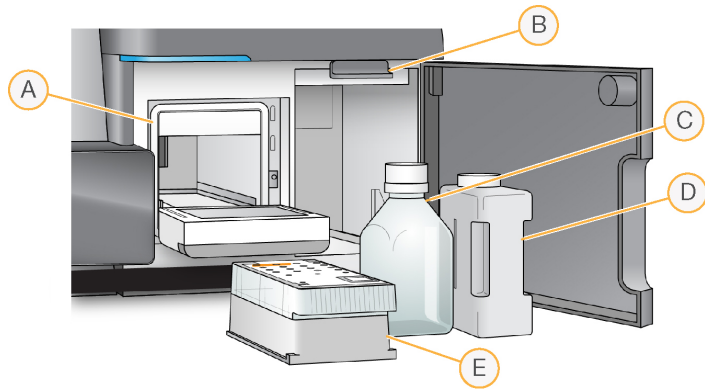
### NOTA

L'intervallo di temperatura richiesto per il vano refrigerato per i reagenti è tra 2 °C e 11 °C.

Durante la corsa, il vano refrigerato per i reagenti può contenere una cartuccia di reagenti monouso. Durante il lavaggio dello strumento, il vano refrigerato per i reagenti può contenere il vassoio di lavaggio. Il software abbassa automaticamente i pescanti in ciascun serbatoio della cartuccia di reagenti al momento opportuno durante la corsa, in base alla procedura in esecuzione.

A destra del vano refrigerato per i reagenti sono presenti due alloggiamenti appositamente conformati per accogliere il flacone di PR2 e il flacone degli scarti. La maniglia del pettine di aspirazione blocca in posizione i flaconi e abbassa in ciascun flacone il pescante appropriato. I reagenti vengono pompati nei pescanti e nelle linee della fluidica, infine giungono alla cella a flusso. Il reagente di scarto viene convogliato nel flacone degli scarti durante l'intero processo.

**Figura 2** Componenti dello scomparto reagenti



- A Vano refrigerato per i reagenti
- B Maniglia del pettine di aspirazione (sollevata nella figura)
- C Flacone di PR2
- D Flacone degli scarti
- E Cartuccia di reagenti

## Concetti di MiSeq

I seguenti concetti e termini sono utilizzati per eseguire la procedura d'impostazione della corsa su MiSeq.

Concetto	Descrizione
Flusso di lavoro di analisi	Una procedura di analisi secondaria eseguita da MiSeq Reporter. Il flusso di lavoro di analisi per ciascuna corsa è indicato nel foglio campioni o dal modulo selezionato.
File manifest	Il file che specifica un genoma di riferimento e le regioni di riferimento target da utilizzare nella fase di allineamento. Per i flussi di lavoro che richiedono un file manifest, il file manifest è specificato nel foglio campioni e copiato nella cartella manifest designata in MCS.
Genoma di riferimento	Un file in formato FASTA che contiene le sequenze genomiche utilizzate durante l'analisi. Per la maggior parte dei flussi di lavoro di analisi, il file dei genomi di riferimento è specificato nel foglio campioni.
Cartella delle corse	La struttura della cartella popolata dal software RTA (cartella MiSeqOutput) o la cartella popolata da MiSeq Reporter (MiSeqAnalysis). Per maggiori informazioni, vedere <a href="#">Cartelle delle corse a pagina 51</a> .
Foglio campioni	Un file con valori separati da virgola (Comma Separated Value, *.csv) contenente le informazioni necessarie per l'impostazione e l'analisi di una corsa di sequenziamento, compreso un elenco dei campioni e le relative sequenze d'indice. Il foglio campioni deve essere fornito durante le fasi di impostazione della corsa su MiSeq. Dopo l'inizio della corsa, il foglio campioni viene rinominato SampleSheet.csv e copiato nelle cartelle delle corse: MiSeqTemp (File temporanei di MiSeq), MiSeqOutput (Output di MiSeq) e MiSeqAnalysis (Analisi di MiSeq).

Per maggiori informazioni sui flussi di lavoro di analisi e sui formati dei file manifest, vedere la *Guida del software MiSeq Reporter (documento n. 15042295)*.

Per maggiori informazioni sui fogli campioni, vedere la *Guida di consultazione rapida del foglio campioni MiSeq (documento n. 15028392)*.

## Software del sistema

Il gruppo di software dello strumento comprende applicazioni integrate che eseguono le corse di sequenziamento, l'analisi integrata sullo strumento e le relative funzioni.

- ▶ **MiSeq Control Software (MCS):** controlla il funzionamento dello strumento. L'interfaccia di MiSeq Control Software (MCS) guida l'utente nella procedura di caricamento della cella a flusso e dei reagenti prima dell'avvio della corsa. Man mano che la corsa procede viene visualizzata una panoramica delle statistiche qualitative.
- ▶ Durante la corsa, MCS aziona il piano portacelle, eroga i reagenti, controlla le temperature della cella a flusso e cattura le immagini dei cluster sulla cella a flusso. MCS esegue la corsa in base ai parametri specificati nel foglio campioni.
- ▶ **Software Real-Time Analysis (RTA):** esegue l'analisi delle immagini e l'identificazione delle basi e assegna un punteggio qualitativo a ciascuna base per ciascun ciclo. Le immagini vengono temporaneamente memorizzate nella cartella della corsa per essere analizzate da RTA, quindi vengono automaticamente cancellate al termine dell'analisi RTA.
- ▶ **Software di analisi secondaria integrato:** esegue l'analisi secondaria. MiSeq Reporter elabora le identificazioni delle basi generate dal software RTA e produce informazioni su allineamento, varianti e gruppi di contig per ciascun genoma richiesto. Il flusso di lavoro specificato nel foglio campioni determina il tipo di analisi eseguita. Per maggiori informazioni, vedere [Software MiSeq Reporter a pagina 8](#).





Il software facoltativo non integrato nello strumento include Sequencing Analysis Viewer (SAV). Per maggiori informazioni, vedere [Sequencing Analysis Viewer \(SAV\) a pagina 9](#).

## Icone di stato

Un'icona di stato situata nell'interfaccia del software di controllo indica qualsiasi cambiamento nelle condizioni durante l'impostazione della corsa o durante la corsa. Un numero sull'icona indica il numero di condizioni per uno stato.

Quando uno stato della corsa viene modificato, l'icona lampeggia per avvisare l'utente. Selezionare l'icona per visualizzare una descrizione della condizione. Selezionare **Acknowledge** (Accetta) per cancellare il messaggio, quindi **Close** (Chiudi) per chiudere la finestra di dialogo.

Per filtrare i tipi di messaggi che vengono visualizzati nella finestra di stato, selezionare le icone situate lungo il margine superiore della finestra. Selezionare un'icona per mostrare/nascondere la condizione di funzionamento associata.

Icona di stato	Nome dello stato	Descrizione
	Stato OK	Nessun cambiamento. Le condizioni del sistema sono normali.
	Attenzione	Informazioni importanti. Si raccomanda un intervento.
	Avvertenza	Le avvertenze non arrestano una corsa. Tuttavia, alcune avvertenze richiedono un intervento prima di poter procedere.
	Errore	In genere gli errori provocano l'arresto di una corsa, che potrà continuare solo dopo un intervento dell'utente.



## Indicatori di attività

Un'icona di indicatore di attività visualizza l'attività che lo strumento sta eseguendo in quel determinato momento.

**Figura 3** Indicatori di attività



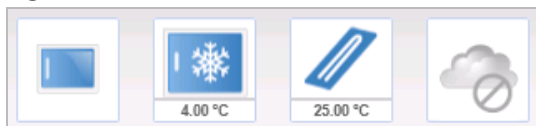
Da sinistra a destra, gli indicatori segnalano le seguenti attività:

- ▶ Spostamento del piano Y
- ▶ Spostamento del piano Z
- ▶ Attivazione dell'elettronica
- ▶ Uso della videocamera
- ▶ Pompaggio nel sistema di fluidica

## Indicatori di rilevamento

Gli indicatori di rilevamento, visualizzati nella parte inferiore di ogni schermata dell'interfaccia, rappresentano lo stato dei componenti dello strumento.

**Figura 4** Indicatori di rilevamento



Da sinistra a destra, gli indicatori di rilevamento segnalano lo stato dei seguenti componenti:

- ▶ Sportello dello scomparto della cella a flusso in posizione chiusa o aperta
- ▶ Temperatura del vano refrigerato per i reagenti in °C
- ▶ Temperatura della cella a flusso in °C
- ▶ Stato della connessione a BaseSpace® (mostrato lo stato non connesso)

## Opzioni per l'analisi secondaria

I dati di sequenziamento ottenuti da MiSeq possono essere analizzati sul computer dello strumento utilizzando MiSeq Reporter, su un server sulla rete utilizzando BaseSpace™ Onsite oppure sul cloud utilizzando BaseSpace. Queste applicazioni generano informazioni sull'allineamento, le varianti e i gruppi contig per ogni genoma richiesto e per ogni campione di una corsa con più campioni. Se si sta eseguendo il flusso di lavoro VeriSeq™ PGS, utilizzare per l'analisi il software BlueFuse™ Multi.

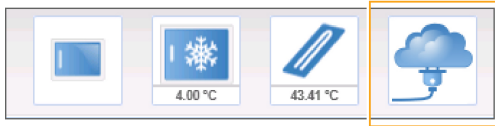
## Descrizione generale di BaseSpace e BaseSpace Onsite

BaseSpace è l'ambiente di calcolo sul cloud di Illumina. BaseSpace Onsite fornisce un ambiente di calcolo su un server dedicato, completo di strumenti per l'impostazione della corsa e opzioni di analisi.

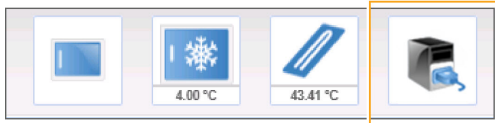
Accedere a BaseSpace o BaseSpace Onsite quando si imposta la corsa di sequenziamento. Quando si utilizza BaseSpace o BaseSpace Onsite, è a disposizione un'ulteriore opzione per archiviare localmente i dati della corsa. Per maggiori informazioni, vedere *Personalizzazione delle impostazioni del sistema* a pagina 13.

Quando si inizia la corsa di sequenziamento, l'icona cambia indicando che MiSeq è connesso a BaseSpace o BaseSpace Onsite e che i file dei dati sono trasferiti in una posizione specificata.

**Figura 5** Icona di connessione a BaseSpace



**Figura 6** Icona di connessione a BaseSpace Onsite



Mediante BaseSpace, i file dei dati vengono cifrati durante il trasferimento, decifrati durante l'analisi e nuovamente cifrati all'atto dell'archiviazione. Mediante BaseSpace Onsite, i file dei dati vengono cifrati durante il trasferimento, decifrati durante l'analisi e possono, facoltativamente, essere di nuovo cifrati all'atto dell'archiviazione.

BaseSpace e BaseSpace Onsite si disconnettono automaticamente da MiSeq al termine della corsa o non appena tutti i file dell'analisi RTA sono stati trasferiti. In caso di interruzione della connessione Internet, una volta ristabilita la connessione il caricamento dei file dell'analisi riprenderà dal punto in cui era stato interrotto.

Non appena caricato su BaseSpace o BaseSpace Onsite l'ultimo file dell'identificazione delle basi, inizia l'analisi secondaria dei dati. BaseSpace e BaseSpace Onsite supportano i medesimi flussi di lavoro, come l'analisi integrata sullo strumento utilizzando MiSeq Reporter.

Per MiSeq Reporter vengono forniti diversi genomi durante l'installazione. BaseSpace e BaseSpace Onsite supportano solo i genomi inclusi con MiSeq Reporter.

Per collegarsi a BaseSpace, andare a [basespace.illumina.com](https://basespace.illumina.com). Accedere usando le credenziali di accesso del proprio account Myllumina. Per maggiori informazioni su BaseSpace, vedere la *Guida per l'utente di BaseSpace (documento n. 15044182)* e le pagine di supporto per BaseSpace sul sito Web Illumina.

Per maggiori informazioni su BaseSpace Onsite, vedere la *Guida del sistema BaseSpace Onsite (documento n. 15049148)* e le pagine di supporto per BaseSpace Onsite sul sito Web Illumina.

## Software MiSeq Reporter

MiSeq Reporter è un'applicazione del servizio Windows che elabora le identificazioni delle basi generate dal software RTA. MiSeq Reporter inizia l'analisi secondaria immediatamente dopo la conclusione dell'analisi della corsa di sequenziamento mediante il software RTA.

MiSeq Reporter viene eseguito sul computer dello strumento. Tuttavia, l'interfaccia software è visibile solo tramite un browser Web da un altro computer che sia collegato alla stessa rete a cui è connesso MiSeq Reporter.

Al termine dell'analisi secondaria, nella cartella della corsa viene creato un file denominato CompletedJobInfo.xml. Per maggiori informazioni, vedere *MiSeq Reporter Software Guide (documento n. 15042295)* (Guida del software MiSeq Reporter).

## Sequenziamento durante l'analisi

Le risorse di calcolo del sistema MiSeq sono dedicate al sequenziamento o all'analisi.

Con MiSeq Reporter, se si avvia una nuova corsa di sequenziamento su MiSeq prima del completamento dell'analisi secondaria di una corsa precedente, l'analisi di MiSeq Reporter viene arrestata automaticamente.

Per riavviare MiSeq Reporter, utilizzare la funzione Requeue (Rimetti in coda) una volta completata la nuova corsa di sequenziamento.

Al termine della nuova corsa di sequenziamento, l'analisi secondaria della corsa precedente si riavvia automaticamente dall'inizio.

## Sequencing Analysis Viewer (SAV)

È possibile monitorare nei dettagli la corsa senza interferire con la stessa utilizzando Sequencing Analysis Viewer (SAV) Illumina. Per poter visualizzare i risultati dell'analisi primaria con SAV, MiSeq deve essere collegato alla rete.

SAV permette, durante una corsa, di valutare le metriche mentre vengono generate e successivamente al termine della corsa. Installare SAV su un computer indipendente da MiSeq con accesso alla stessa rete a cui è connesso lo strumento. Dopo l'avvio dell'applicazione, andare alla cartella di output della corsa in esecuzione.

Dopo la generazione della griglia per l'identificazione dei cluster, SAV fornisce le metriche generate dal software RTA e le organizza in diagrammi, grafici e tabelle.



### NOTA

SAV è un software universale per i sistemi di sequenziamento Illumina, la maggior parte dei quali utilizza una cella a flusso a otto corsie. Alcune schermate includono elenchi a discesa che mostrano le corsie da 1 a 8. Poiché la cella a flusso MiSeq dispone di una sola corsia, selezionare **All** (Tutte) o **Lane 1** (Corsia 1). Per maggiori informazioni, vedere *Guida per l'utente di Sequencing Analysis Viewer (SAV)*, (documento n. 15020619).

## Spazio su disco necessario

Il computer integrato allo strumento dispone di una capacità di memoria di circa 550 GB.

Prima di avviare una corsa, il software verifica lo spazio disponibile su disco. Se non è disponibile spazio su disco sufficiente per la corsa, viene visualizzato un messaggio indicante quanto spazio su disco è richiesto.

Se viene richiesto di liberare spazio su disco, spostare o eliminare le cartelle delle corse secondo necessità. Per maggiori informazioni, vedere *Manage Files (Gestione file)* a pagina 40. Dopo avere liberato spazio su disco sufficiente, selezionare **Restart Check** (Riavvia verifica).

## Descrizione generale di MiSeq Reagent Kit

MiSeq Reagent Kit è un kit di reagenti monouso richiesto per eseguire una corsa di sequenziamento. Il kit è disponibile in diversi tipi e dimensioni. Ciascun tipo di MiSeq Reagent Kit include un tipo di cella a flusso specifica per il kit e tutti i reagenti richiesti per eseguire una corsa.

La cella a flusso, il flacone di PR2 e la cartuccia di reagenti forniti nel kit utilizzano l'identificazione a radiofrequenza (RFID) per la compatibilità e il monitoraggio accurati dei materiali di consumo.

Utilizzare sempre la cartuccia di reagenti associata al tipo di cella a flusso in uso. Se la cartuccia di reagenti non è compatibile, viene visualizzato un messaggio durante l'impostazione della corsa che invita a caricare una cartuccia di reagenti compatibile.

Per una descrizione dei kit di reagenti disponibili, visitare la [pagina relativa al prodotto MiSeq Reagent Kit](#) sul sito Web Illumina.

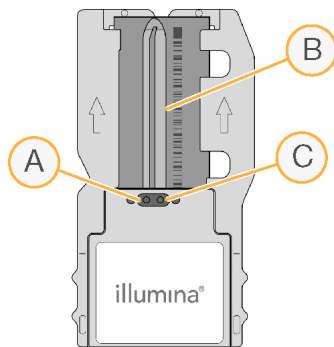
## Cella a flusso

La cella a flusso MiSeq è un substrato su vetro monouso su cui vengono generati i cluster e viene eseguita la reazione di sequenziamento.

I reagenti penetrano nella cella a flusso tramite la porta di ingresso, attraversano l'area di imaging a singola corsia e defluiscono dalla porta di uscita. Gli scarti provenienti dalla cella a flusso vengono raccolti nel flacone degli scarti.

Le librerie vengono caricate sulla cartuccia di reagenti prima dell'avvio della corsa per poi essere trasferite automaticamente nella cella a flusso dopo l'avvio della corsa.

Figura 7 Cella a flusso MiSeq



- A Porta di uscita
- B Area di imaging
- C Porta di ingresso

## Colore del tappo della cella a flusso

Il colore del tappo del contenitore della cella a flusso indica il tipo di cella a flusso:

Cella a flusso	Colore del tappo della cella a flusso
Cella a flusso standard Cella a flusso PGS	Trasparente
Cella a flusso micro	Verde
Cella a flusso nano	Giallo

## Panoramica sulla cartuccia di reagenti

La cartuccia di reagenti MiSeq è un materiale di consumo monouso costituito da piccoli serbatoi sigillati e pre-riempiti con reagenti sufficiente per la generazione di cluster e per il sequenziamento di una cella a flusso.

Ogni serbatoio della cartuccia è numerato. Le librerie dei campioni vengono caricate sulla cartuccia nella posizione 17, etichettata **Load Samples** (Carica i campioni).



## AVVERTENZA

Questo set di reagenti contiene materiali chimici potenzialmente pericolosi. L'inalazione, l'ingestione, il contatto con la pelle o con gli occhi possono causare lesioni personali. Indossare l'attrezzatura protettiva, inclusi protezione per gli occhi, guanti e indumento da laboratorio appropriato per evitare i rischi di esposizione. Manipolare i reagenti usati come rifiuti chimici e smaltirli in base alle leggi e alle regolamentazioni applicabili a livello regionale, nazionale e locale. Per ulteriori informazioni ambientali, di salute e di sicurezza, vedere le SDS alla pagina Web [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html).

## Serbatoi riservati

Figura 8 Cartuccia di reagenti con serbatoi riservati

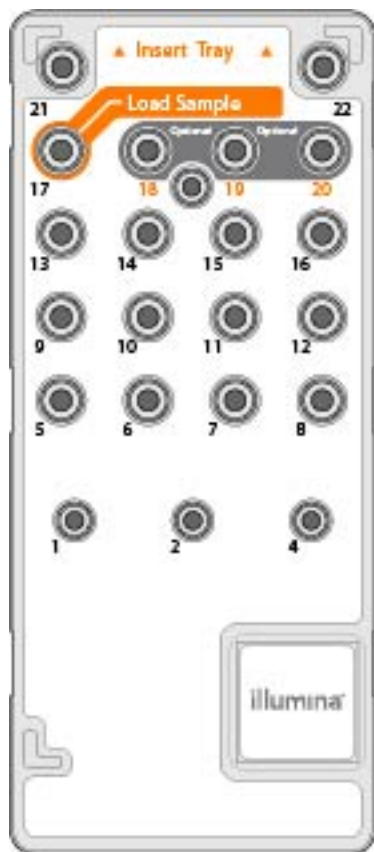


Tabella 1 Serbatoi della cartuccia di reagenti

Posizione	Nome reagente	Descrizione
8	LDR	Reagente di denaturazione (contiene formammide)
17	Riservata	<b>Load Sample</b> (Carica il campione) - riservata per le librerie dei campioni
18	Riservata	Riservata per il primer personalizzato Read 1 (Lettura 1) <b>[facoltativo]</b>
19	Riservata	Riservata per il primer personalizzato Index Read (Lettura indici) <b>[facoltativo]</b>
20	Riservata	Riservata per il primer personalizzato Read 2 (Lettura 2) <b>[facoltativo]</b>



**NOTA**

Per maggiori informazioni sull'uso di primer personalizzati sulla cartuccia di reagenti MiSeq, vedere la *Guida ai primer personalizzati MiSeq (documento n. 15041638)*.

# Capitolo 2 Informazioni preliminari

Avvio di MiSeq .....	13
Personalizzazione delle impostazioni del sistema .....	13
Configurazione delle notifiche per gli aggiornamenti di BaseSpace .....	14
Impostazione delle preferenze per le notifiche via e-mail .....	14
Impostazione delle posizioni predefinite per le cartelle .....	15
Materiali di consumo forniti dall'utente .....	15

## Avvio di MiSeq

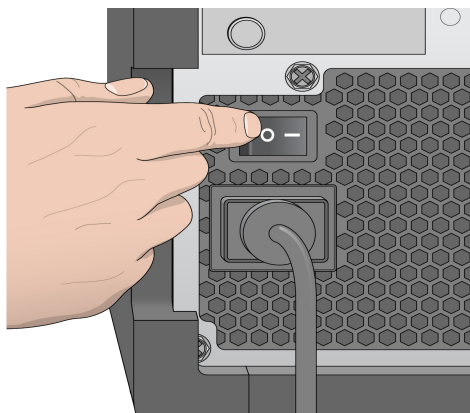
- 1 Spostare l'interruttore di alimentazione che si trova nella parte posteriore dello strumento in posizione | (acceso).



### NOTA

Per ottenere prestazioni migliori, lasciare lo strumento sempre acceso. Tuttavia, se lo strumento deve essere spento, vedere *Spegnimento dello strumento a pagina 42*. Attendere **almeno** 60 secondi prima di riaccenderlo portando l'interruttore di alimentazione su ON.

Figura 9 Posizione dell'interruttore di alimentazione



- 2 Attendere il caricamento del sistema, quindi accedere al sistema operativo. Se necessario, rivolgersi all'amministratore della struttura per ottenere il nome utente e la password.  
Quando il sistema operativo è stato caricato, il software MiSeq Control Software (MCS) lancia e inietta automaticamente il sistema.

## Personalizzazione delle impostazioni del sistema

- 1 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Run Options** (Opzioni corsa).
- 2 Selezionare la scheda **Run Settings** (Impostazioni corsa).
- 3 Selezionare **Post Run Wash** (Lavaggio post-corsa) o **Maintenance Wash** (Lavaggio di manutenzione).  
Un lavaggio dello strumento è richiesto dopo ogni corsa. Il software richiede un lavaggio prima di impostare una corsa successiva. L'opzione Post-Run Wash (Lavaggio post-corsa) indica il tipo di lavaggio eseguito per impostazione predefinita. Un lavaggio post-corsa impiega circa 30 minuti. Un lavaggio di manutenzione impiega circa un'ora.
- 4 Immettere l'indirizzo della posizione del server di BaseSpace Onsite.  
Se si utilizza Onsite Server è richiesta l'impostazione di BaseSpace Onsite Server.

- 5 Selezionare **Send Instrument Performance Data to Illumina to aid technical support** (Invia i dati delle prestazioni dello strumento a Illumina per l'Assistenza Tecnica) per attivare il servizio di monitoraggio proattivo. In base alla versione di MCS in uso, il nome di questa impostazione nell'interfaccia del software potrebbe essere diverso dal nome presente in questa guida.

Se questa impostazione è attivata, i dati sulle prestazioni dello strumento vengono inviati a Illumina. Questi dati consentono a Illumina di risolvere facilmente eventuali problemi, di rilevare possibili malfunzionamenti, di eseguire una manutenzione proattiva e di massimizzare il tempo di funzionamento dello strumento. Per ulteriori informazioni sui vantaggi di questo servizio, vedere *Illumina Proactive Technical Note (documento n. 1000000052503)*.

Questo servizio:

- ▶ Non invia i dati del sequenziamento.
- ▶ Richiede che lo strumento sia connesso a una rete con accesso a Internet.
- ▶ È acceso per impostazione predefinita. Se non si desidera usufruire di questo servizio, disattivare l'impostazione **Send Instrument Performance Data to Illumina to aid technical support** (Invia i dati delle prestazioni dello strumento a Illumina per l'Assistenza Tecnica).

- 6 Per MiSeq Reporter, selezionare o deselezionare l'opzione **When using BaseSpace or BaseSpace Onsite, replicate analysis locally on MiSeq** (Se BaseSpace o BaseSpace Onsite è in uso, replicare l'analisi localmente su MiSeq).

L'impostazione di replica locale dell'analisi indica le posizioni dell'elaborazione dell'analisi quando si utilizza BaseSpace o BaseSpace Onsite. Questa impostazione fornisce la possibilità di eseguire l'analisi sia localmente sullo strumento che in BaseSpace o BaseSpace Onsite.

Se si sta utilizzando BaseSpace o BaseSpace Onsite e si seleziona questa opzione, MiSeq Reporter si apre automaticamente dopo la corsa ed esegue l'analisi localmente.

Se si sta utilizzando BaseSpace o BaseSpace Onsite e non si seleziona questa opzione, MiSeq Reporter non si apre automaticamente dopo la corsa e l'analisi viene eseguita solo in BaseSpace o BaseSpace Onsite.

Selezionare questa opzione se si sta eseguendo il flusso di lavoro di VeriSeq PGS con il software BlueFuse Multi.

## Configurazione delle notifiche per gli aggiornamenti di BaseSpace

- 1 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Manage Instrument** (Gestione strumento).
- 2 Selezionare **Software Update** (Aggiornamento software).
- 3 Selezionare **Automatically check for new software updates on BaseSpace** (Verifica automaticamente nuovi aggiornamenti software su BaseSpace).

## Impostazione delle preferenze per le notifiche via e-mail

MiSeq può essere configurato per inviare una notifica e-mail al termine dell'analisi di RTA, al termine dell'analisi secondaria integrata sullo strumento o quando si verifica un errore critico nel software MiSeq.

- 1 Dalla schermata Home (Inizio), selezionare **Run Options** (Opzioni corsa).
- 2 Selezionare la scheda **Email Notifications** (Notifiche e-mail).
- 3 Immettere le informazioni seguenti:
  - ▶ **Local SMTP email server address** (Indirizzo locale server e-mail SMTP): utilizzare la tastiera sullo schermo per inserire l'indirizzo del server locale e-mail SMTP. Se necessario, per ottenere queste informazioni rivolgersi all'amministratore della propria struttura.



- ▶ **Sender address** (Indirizzo del mittente): utilizzare la tastiera sullo schermo per inserire l'indirizzo e-mail del mittente. Può essere l'indirizzo e-mail dell'utente o un altro indirizzo specificato per l'invio delle notifiche e-mail.
- ▶ **Recipient addresses** (Indirizzi destinatari): utilizzare la tastiera sullo schermo per inserire gli indirizzi e-mail di ogni destinatario che deve ricevere le notifiche. Separare ciascun indirizzo e-mail mediante una virgola. Selezionare **Test** (Verifica): per inviare un messaggio e-mail di verifica ai destinatari delle notifiche.
- ▶ **Notify via email when** (Notifica per e-mail quando): selezionare la corrispondente casella di controllo per ciascuno degli eventi della corsa che innesca una notifica.

## Impostazione delle posizioni predefinite per le cartelle

Le cartelle possono trovarsi su una rete locale o sul computer dello strumento.

- 1 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Run Options** (Opzioni corsa).
- 2 Selezionare la scheda **Folder Settings** (Impostazioni cartella).
- 3 Immettere le posizioni predefinite per le seguenti cartelle.
  - ▶ **Recipe Folder** (Cartella delle ricette): imposta la posizione predefinita per le ricette. Le ricette sono file XML utilizzati dal software per eseguire la corsa di sequenziamento. Una ricetta è creata all'avvio di una corsa in base ai parametri contenuti nel foglio campioni, quindi la ricetta viene copiata nella cartella di output.
  - ▶ **Sample Sheets Folder** (Cartella dei fogli campioni): imposta il percorso predefinito per i fogli campioni. I fogli campioni sono creati prima della preparazione delle librerie e contengono i parametri per la corsa.
  - ▶ **Manifest Folder** (Cartella dei file manifest): i file manifest sono richiesti per alcuni tipi di libreria. Vedere la documentazione relativa al kit di preparazione dei campioni in uso e la *Guida di consultazione rapida per il foglio campioni (documento n. 15028392)*.
  - ▶ **MiSeqOutput** (Output di MiSeq): per MiSeq Reporter, imposta il percorso predefinito per i file di output dell'analisi. Cambiare la cartella predefinita per l'output su una rete locale per la condivisione, l'archiviazione a lungo termine e, facoltativamente, per utilizzare MiSeq Reporter off-line. Per maggiori informazioni, vedere *Cartelle delle corse a pagina 51*.

## Materiali di consumo forniti dall'utente

Prima di avviare una corsa di sequenziamento, accertarsi di avere a disposizione i seguenti materiali di consumo forniti dall'utente.

Materiali di consumo	Fornitore	Scopo
1,0 N NaOH soluzione madre (stock), per biologia molecolare	Fornitore di laboratorio generico	Denaturazione del DNA delle librerie dei campioni e del campione di controllo PhiX
Salviettine imbevute di alcol isopropilico al 70% oppure etanolo al 70%	WWR, n. di catalogo 95041-714* Fornitore di laboratorio generico	Pulizia del vano portacella
Guanti monouso, privi di polvere	Fornitore di laboratorio generico	Uso generale

Materiale di consumo	Fornitore	Scopo
Panno da laboratorio a bassissimo rilascio di particelle	WWR, n. di catalogo 21905-026*	Pulizia del piano portacelle e del sigillo che copre il serbatoio di caricamento dei campioni
Carta pulente per lenti, 10 x 15 cm ca.	WWR, n. di catalogo 52846-001*	Pulizia della cella a flusso
Provette per microcentrifuga	Fornitore di laboratorio generico	Denaturazione e diluizione del DNA delle librerie dei campioni e del campione di controllo PhiX
Provette MiSeq	Illumina, n. codice MS-102-9999	Lavaggio della linea del template, da utilizzare con il flusso di lavoro VeriSeq PGS (facoltativo con altri flussi di lavoro)
NaOCl, 5%	Sigma-Aldrich, n. di catalogo 239305*	Lavaggio della linea del template, da utilizzare con il flusso di lavoro VeriSeq PGS (facoltativo con altri flussi di lavoro)
Tween 20	Sigma-Aldrich, n. di catalogo P7949	Lavaggio dello strumento
Pinzette di plastica con punta quadrata (facoltative)	McMaster-Carr, n. di catalogo 7003A22*	Estrazione della cella a flusso dal relativo contenitore
Acqua da laboratorio	Fornitore di laboratorio generico	Lavaggio dello strumento

\* o acqua da laboratorio equivalente

## Linee guida per l'acqua da laboratorio

Per eseguire le procedure dello strumento usare sempre acqua da laboratorio o acqua deionizzata. Non usare mai acqua di rubinetto. Utilizzare solo acqua da laboratorio o gli equivalenti seguenti:

- ▶ Acqua deionizzata
- ▶ PW1 Illumina
- ▶ Acqua con resistività pari a 18 Megaohm (MΩ)
- ▶ Acqua Milli-Q
- ▶ Acqua Super-Q
- ▶ Acqua sterile per biologia molecolare

# Capitolo 3 Sequenziamento

Introduzione .....	17
Durata della corsa .....	17
Flusso di lavoro di MiSeq .....	18
Scongellamento della cartuccia di reagenti .....	19
Ispezione della cartuccia di reagenti .....	19
Denaturazione e diluizione delle librerie .....	20
Caricamento delle librerie dei campioni .....	20
Impostazione di una corsa utilizzando MCS .....	21
Pulizia della cella a flusso .....	21
Caricamento della cella a flusso .....	23
Caricamento reagenti .....	24
Avvio della corsa .....	26
Monitoraggio della corsa .....	27
Esecuzione di un lavaggio post-corsa .....	29

## Introduzione

Per eseguire una corsa di sequenziamento su MiSeq, attenersi alla procedura d'impostazione descritta nel presente capitolo.

Dopo l'avvio della corsa, non è richiesto alcun altro intervento da parte dell'utente.

La corsa di sequenziamento può essere monitorata dalla schermata Sequencing (Sequenziamento) oppure a distanza utilizzando Sequencing Analysis Viewer (SAV). Questa applicazione facoltativa può essere scaricata dal sito Web Illumina.

Al termine della corsa di sequenziamento, eseguire un lavaggio dello strumento.

## Durata della corsa

La durata della corsa si basa sul numero di cicli eseguiti. Si può eseguire una corsa paired-end fino a 2 x 301 cicli di sequenziamento più qualsiasi Index Reads (Lecture indici) con MCS v2.3, o versione successiva.

Inoltre, la durata della corsa dipende dalla versione dei reagenti MiSeq in uso e da eventuali aggiornamenti per il miglioramento delle prestazioni installati sullo strumento.

Per le durate previste e altre specifiche, visitare la [pagina delle specifiche del sistema MiSeq](#) sul sito Web Illumina.

## Numero di cicli di sequenziamento in una lettura

In una corsa di sequenziamento, il numero di cicli eseguiti in una lettura è pari a un ciclo in più rispetto al numero di cicli analizzati. L'ultimo ciclo in più è necessario per i calcoli di correzioni della determinazione delle fasi (phasing) e della predeterminazione delle fasi (prephasing).

Ad esempio, una corsa paired-end da 300 cicli esegue due letture di 301 cicli (2 x 301) con un totale di 602 cicli. Al termine della corsa, si analizzano 2 x 300 cicli.

## Flusso di lavoro di MiSeq



Preparare la cartuccia di reagenti precaricata da utilizzare.



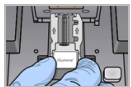
Denaturare e diluire le librerie (non si applica a tutti i tipi di libreria). Vedere *Preparazione delle librerie per il sequenziamento su MiSeq* (documento n. 15039740).



Caricare la miscela di librerie nell'apposito serbatoio della cartuccia di reagenti.



Dall'interfaccia software, selezionare **Sequence** (Sequenziamento) per avviare la procedura d'impostazione della corsa.  
**[Facoltativo]** Collegarsi a BaseSpace o BaseSpace Onsite.



Lavare e asciugare accuratamente la cella a flusso.  
Caricare la cella a flusso.



Caricare il flacone di PR2 e accertarsi che il flacone degli scarti sia vuoto.  
Caricare la cartuccia di reagenti.



Riesaminare i parametri della corsa e i risultati della verifica pre-corsa.  
Selezionare **Start Run** (Avvia corsa).



Monitorare la corsa dall'interfaccia MCS o da un altro computer utilizzando Sequencing Analysis Viewer (SAV).



Eeguire un lavaggio post-corsa.

## Generazione di cluster

Durante la generazione di cluster, singole molecole di DNA si legano alla superficie della cella a flusso, quindi vengono sottoposte ad amplificazione "a ponte" per formare i cluster.

## Sequenziamento

Dopo essere stati generati, i cluster vengono sottoposti a imaging utilizzando LED e combinazioni di filtri specifici per ciascuno dei quattro dideossinucleotidi con marcatura fluorescente. Ultimato l'imaging di una delle tile, la cella a flusso viene riposizionata per l'esposizione della tile successiva. Il processo è ripetuto per ciascun ciclo di sequenziamento. Dopo l'analisi delle immagini, il software esegue l'identificazione delle basi, il filtraggio e il calcolo dei punteggi qualitativi.

## Analisi

Al termine della corsa, il software di analisi MiSeq Reporter si avvia automaticamente per eseguire l'analisi secondaria, che comprende l'allineamento e l'identificazione delle varianti. È possibile monitorare l'analisi secondaria da un altro computer via Internet. Per maggiori informazioni, vedere *Software MiSeq Reporter a pagina 8*

## Scongelamento della cartuccia di reagenti

Scongelare la cartuccia di reagenti utilizzando un bagno d'acqua a temperatura ambiente.

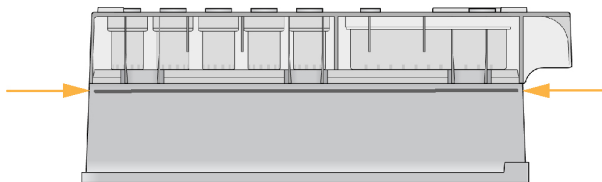


### NOTA

In alternativa, scongelare i reagenti durante la notte in un luogo di conservazione tra 2 °C e 8 °C. Se conservati a questa temperatura, i reagenti sono stabili fino a una settimana.

- 1 Rimuovere la cartuccia di reagenti dal luogo di conservazione con una temperatura compresa tra -25 °C e -15 °C.
- 2 Posizionare la cartuccia di reagenti in un bagno d'acqua contenente acqua deionizzata a temperatura ambiente sufficiente ad immergere la base della cartuccia di reagenti. Evitare che l'acqua superi la linea di massimo livello acqua stampata sulla cartuccia di reagenti.

Figura 10 Linea di massimo livello acqua



- 3 Lasciare la cartuccia di reagenti a scongelare in un bagno d'acqua a temperatura ambiente fino a completo scongelamento.
  - ▶ Cartucce MiSeq v3: circa 60-90 minuti.
  - ▶ Cartucce MiSeq v2: circa 60 minuti.
- 4 Rimuovere la cartuccia dal bagno d'acqua e picchiettarla delicatamente sul banco per far fuoriuscire l'acqua in eccesso dalla base della cartuccia. Asciugare la base della cartuccia.

## Ispezione della cartuccia di reagenti

- 1 Capovolgere la cartuccia di reagenti dieci volte per miscelare i reagenti scongelati, quindi ispezionare tutte le posizioni per accertarsi che siano scongelati.
- 2 Ispezionare i reagenti nelle posizioni 1, 2 e 4 per accertarsi che siano ben miscelati e privi di precipitati.
- 3 Picchiettarla delicatamente la cartuccia sul banco per ridurre le bolle d'aria nei reagenti.



### NOTA

I tubi dei pescanti di MiSeq vanno fino al fondo di ciascun serbatoio per aspirare i reagenti, per questa ragione è importante che i serbatoi non contengano bolle d'aria.

- 4 Posizionare la cartuccia di reagenti su ghiaccio fino a sei ore oppure conservarla a una temperatura compresa tra 2 °C e 8 °C finché non si è pronti a impostare la corsa. Per risultati ottimali, procedere direttamente caricando il campione e impostando la corsa.



## AVVERTENZA

Questo set di reagenti contiene materiali chimici potenzialmente pericolosi. L'inalazione, l'ingestione, il contatto con la pelle o con gli occhi possono causare lesioni personali. Indossare l'attrezzatura protettiva, inclusi protezione per gli occhi, guanti e indumento da laboratorio appropriato per evitare i rischi di esposizione. Manipolare i reagenti usati come rifiuti chimici e smaltirli in base alle leggi e alle regolamentazioni applicabili a livello regionale, nazionale e locale. Per ulteriori informazioni ambientali, di salute e di sicurezza, vedere le SDS alla pagina Web [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html).

## Denaturazione e diluizione delle librerie

Se richiesto dal tipo di libreria, denaturare e diluire le librerie e aggiungere un campione di controllo PhiX facoltativo. Vedere la *Guida alla denaturazione e alla diluizione delle librerie del sistema MiSeq (documento n. 15039740)*. Se si sta eseguendo il flusso di lavoro VeriSeq PGS, vedere la *Guida alla preparazione delle librerie VeriSeq PGS (documento n. 15052877)*.

**Questa fase non si applica a tutti i tipi di librerie.** Alcuni metodi di preparazione dei campioni Illumina consentono di ottenere una concentrazione normalizzata pronta all'uso di un raggruppamento in pool di librerie. Fare riferimento alla guida di preparazione dei campioni relativa al kit utilizzato per preparare le librerie dei campioni.



## NOTA

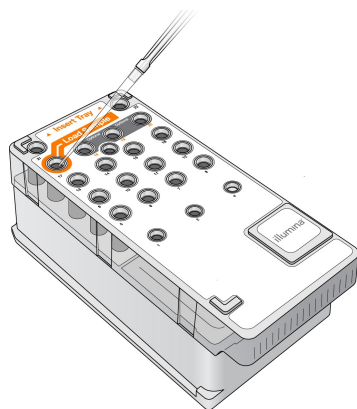
Se si utilizzano primer personalizzati, preparare i primer e impostare il foglio campioni come descritto nella *Guida ai primer personalizzati MiSeq (documento n. 15041638)*.

## Caricamento delle librerie dei campioni

Quando la cartuccia dei reagenti è completamente scongelata e pronta per l'utilizzo, caricare le librerie preparate sulla cartuccia.

- 1 Con un panno da laboratorio a bassissimo rilascio di particelle pulire il sigillo che copre il serbatoio contrassegnato con **Load Samples** (Carica i campioni).
- 2 Forare il sigillo con una pipetta pulita da 1 ml.
- 3 Dispensare 600 µl di librerie preparate nel serbatoio **Load Samples** (Carica campioni). Evitare di toccare il sigillo.

**Figura 11** Caricamento delle librerie



- 4 Passare direttamente alla procedura d'impostazione della corsa utilizzando l'interfaccia di MiSeq Control Software (MCS).

## Impostazione di una corsa utilizzando MCS

- 1 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Manage Instrument** (Gestione strumento).
- 2 Selezionare **Reboot** (Riavvia) per riavviare il software del sistema.
- 3 **[Facoltativo]** Nella schermata Run Options (Opzioni corsa), verificare le posizioni delle cartelle per MiSeqOutput (Output di MiSeq), ricette, fogli campioni e file manifest. Per maggiori informazioni, vedere *Impostazione delle posizioni predefinite per le cartelle a pagina 15*.
- 4 Dalla schermata Home (Inizio), selezionare **Sequence** (Sequenziamento) per avviare la procedura d'impostazione della corsa.  
Quando si seleziona **Sequence** (Sequenziamento) sulla schermata Home (Inizio), viene visualizzata una serie di schermate per l'impostazione della corsa nel seguente ordine: BaseSpace Option (Opzione BaseSpace) Load Flow Cell (Caricamento cella a flusso), Load Reagents (Caricamento reagenti), Review (Revisione) e Pre-Run Check (Verifica pre-corsa).

## Impostazione dell'opzione BaseSpace o BaseSpace Onsite

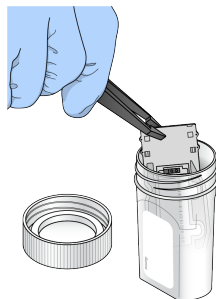
Eseguire facoltativamente l'analisi secondaria mediante BaseSpace o BaseSpace Onsite.

- 1 Dalla schermata BaseSpace Options (Opzioni di BaseSpace), selezionare o deselezionare le caselle di controllo **Use BaseSpace for storage and analysis** (Utilizza BaseSpace per l'archiviazione e l'analisi) e **Use BaseSpace Onsite for storage and analysis** (Utilizza BaseSpace Onsite per l'archiviazione e l'analisi).
- 2 Selezionare **Next** (Avanti).

## Pulizia della cella a flusso

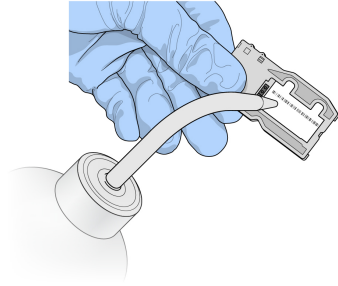
- 1 Indossare un nuovo paio di guanti privi di polvere.
- 2 Con una pinza di plastica, afferrare la cella a flusso dalla base della cartuccia in plastica ed estrarla dal contenitore.

**Figura 12** Rimozione della cella a flusso



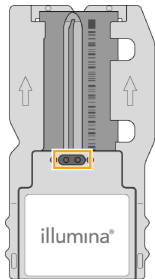
- 3 Sciacquare delicatamente la cella a flusso con acqua da laboratorio fino a quando saranno completamente eliminati i sali in eccesso dal vetro e dalla cartuccia di plastica.  
I sali in eccesso possono impedire il corretto posizionamento della cella a flusso sullo strumento. Se i sali si asciugano nell'area di imaging, questi potrebbero incidere anche sull'imaging.

**Figura 13** Risciacquo della cella a flusso



- 4 Prestando particolare attenzione intorno alla guarnizione nera della porta della cella a flusso, asciugare con cura la cella a flusso e la cartuccia con un panno pulente per lenti che non lascia residui. Asciugare tamponando delicatamente l'area della guarnizione e il vetro adiacente.

**Figura 14** Porte e guarnizione della cella a flusso



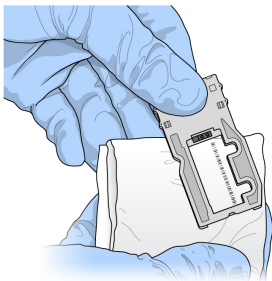
- 5 Pulire il vetro della cella a flusso con una salvietta imbevuta di alcol. Assicurarsi di non lasciare striature e impronte sul vetro e che sia completamente privo di particelle estranee o fibre di tessuto.



**NOTA**

Non utilizzare la salvietta imbevuta di alcol sulla guarnizione della porta della cella a flusso.

**Figura 15** Asciugatura della cella a flusso



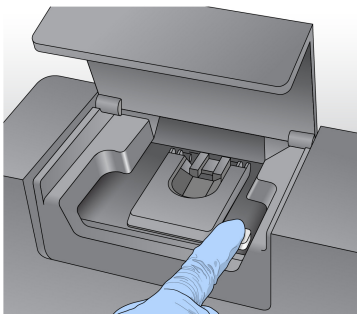
- 6 Asciugare l'alcol in eccesso con un panno pulente per lenti che non lascia residui.
- 7 Assicurarsi che le porte della cella a flusso non siano ostruite e che la guarnizione aderisca correttamente intorno alle porte della cella a flusso.  
Se la guarnizione sembra anche leggermente scostata, riposizionarla esercitando una leggera pressione fino a farla aderire correttamente alle porte della cella a flusso.



## Caricamento della cella a flusso

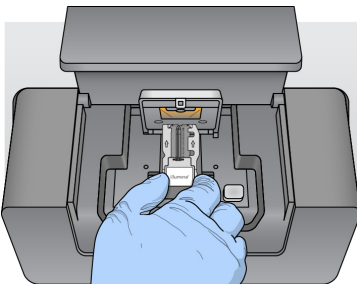
- 1 Sollevare lo sportello dello scomparto della cella a flusso, quindi premere il pulsante di sblocco a destra del coperchio a scatto. Il coperchio a scatto si apre.

**Figura 16** Apertura del coperchio a scatto



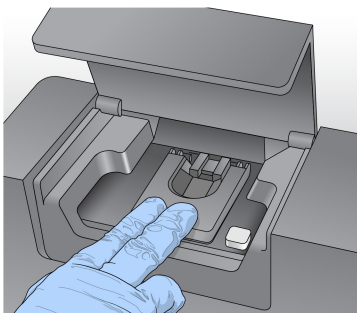
- 2 Assicurarsi che il piano portacelle sia privo di residui. Se si riscontra la presenza di fibre o altre particelle estranee, pulire il piano portacelle con una salvietta imbevuta di alcol o un panno che non lascia residui imbevuto di etanolo o isopropanolo. Strofinare delicatamente la superficie del piano portacelle finché non è perfettamente pulita e asciutta.
- 3 Tenendo la cella a flusso per le estremità, posizionarla sul piano portacelle.

**Figura 17** Posizionamento della cella a flusso sul piano portacelle



- 4 Premere delicatamente il coperchio a scatto per abbassarlo sulla cella a flusso. Mentre il coperchio a scatto si chiude, i perni di allineamento posizionano la cella a flusso. Quando si avverte un 'clic' vuol dire che il coperchio a scatto è chiuso correttamente.

**Figura 18** Chiusura del coperchio a scatto



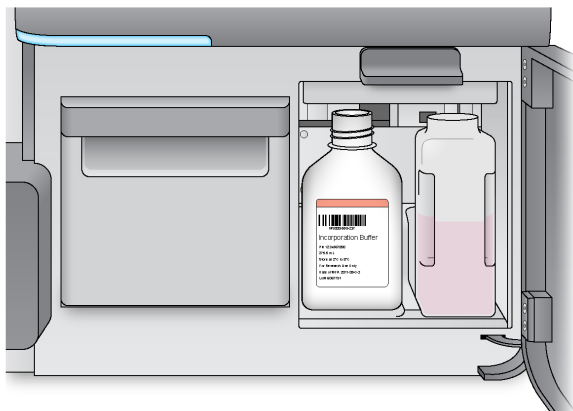
- 5 Se il software non identifica l'etichetta RFID della cella a flusso, vedere *Risoluzione degli errori di lettura dell'etichetta RFID a pagina 47*.
- 6 Chiudere lo sportello dello scomparto della cella a flusso.
- 7 Selezionare **Next** (Avanti).

## Caricamento reagenti

### Caricamento del flacone di PR2 e verifica del flacone degli scarti

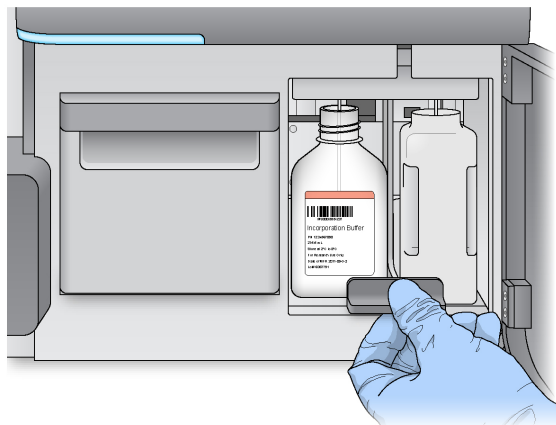
- 1 Rimuovere il flacone di PR2 dalla temperatura di conservazione compresa tra 2 °C e 8 °C. Capovolgere per miscelare, quindi rimuovere il coperchio.
- 2 Aprire lo sportello dello scomparto reagenti.
- 3 Sollevare la maniglia del pettine di aspirazione finché non si blocca in sede.
- 4 Rimuovere il flacone di lavaggio e caricare il flacone di PR2.

**Figura 19** Caricamento del flacone di PR2



- 5 Svuotare il contenuto del flacone degli scarti nell'apposito contenitore per gli scarti.
- 6 Abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione. Accertarsi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di PR2 e degli scarti.

**Figura 20** Abbassamento della maniglia del pettine di aspirazione



- 7 Se il software non identifica l'etichetta RFID del flacone di PR2, vedere *Risoluzione degli errori di lettura dell'etichetta RFID a pagina 47*.
- 8 Selezionare **Next** (Avanti).

## Caricamento della cartuccia di reagenti

- 1 Aprire lo sportello del vano refrigerato.

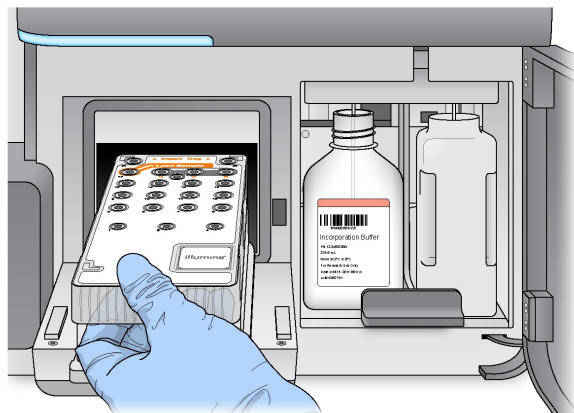


### NOTA

Non lasciare lo sportello del vano refrigerato per i reagenti aperto per periodi prolungati.

- 2 Tenere la cartuccia di reagenti dall'estremità con l'etichetta Illumina e farla scorrere all'interno del vano refrigerato finché non si arresta in posizione.  
Utilizzare sempre la cartuccia di reagenti associata con il tipo di cella a flusso caricata. Se la cartuccia di reagenti non è compatibile, viene visualizzato un messaggio sulla schermata. Selezionare **Back** (Indietro) per caricare la cartuccia di reagenti corretta oppure **Home** (Inizio) per tornare alla schermata Home (Inizio).

**Figura 21** Caricamento della cartuccia di reagenti



- 3 Chiudere lo sportello del vano refrigerato per i reagenti.

- 4 Se il software non identifica l'etichetta RFID della cartuccia di reagenti, vedere *Risoluzione degli errori di lettura dell'etichetta RFID a pagina 47*.
- 5 Se la cartuccia di reagenti non è compatibile con la cella a flusso, viene visualizzato un messaggio. Selezionare **Back** (Indietro) per caricare una cartuccia compatibile o selezionare **Exit** (Esci) per tornare alla schermata Home (Inizio).
- 6 Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 7 Selezionare **Next** (Avanti).

## Opzione Change Sample Sheet (Cambia foglio campioni)

Utilizzare il comando Change Sample Sheet (Cambia foglio campioni) per eseguire quanto segue:

- ▶ Per selezionare un foglio campioni con un nome che non corrisponde al numero del codice a barre della cartuccia di reagenti
- ▶ Quando indicato dal software scegliere un foglio campioni diverso sulla schermata Review (Revisione)

A ogni corsa deve essere associato un foglio campioni. Per impostazione predefinita, il software cerca il file del foglio campioni con un nome che corrisponde al numero del codice a barre della cartuccia di reagenti caricata sullo strumento. Se non viene individuato un foglio campioni, viene visualizzato un messaggio che invita l'utente a cercare la posizione del foglio campioni corretto per la corsa.

Per impedire al software di cercare senza ottenere risultati, utilizzare il comando **Change Sample Sheet** (Cambia foglio campioni) nella schermata Load Reagents (Caricamento reagenti) per indirizzare il software al foglio campioni corretto.

- 1 Selezionare **Change Sample Sheet** (Cambia foglio campioni) nella schermata Load Reagents (Caricamento reagenti).
- 2 Selezionare **Browse** (Sfoglia) per andare al foglio campioni.
- 3 Selezionare **Open** (Apri).
- 4 Selezionare **Save and Continue** (Salva e continua).
- 5 Selezionare **Next** (Avanti).

## Avvio della corsa

Dopo aver caricato la cella a flusso e i reagenti riesaminare i parametri della corsa ed eseguire una verifica pre-corsa prima di avviare la corsa.

## Revisione dei parametri della corsa

- 1 Rivedere il nome assegnato all'esperimento, il flusso di lavoro scelto per l'analisi e la lunghezza delle letture. Questi parametri sono specificati nel foglio campioni.
- 2 Selezionare **Change Folder** (Cambia Cartella) per rivedere le posizioni della cartella.
- 3 Modificare secondo necessità, quindi selezionare **Save** (Salva).
- 4 Selezionare **Next** (Avanti).

## Opzione Change Folders (Cambia cartelle)

Se si desidera modificare i percorsi delle cartelle, selezionare **Change Folders** (Cambia cartelle) e navigare fino a individuare un percorso preferito. Questa opzione della schermata Review (Revisione) consente di cambiare i percorsi delle varie cartelle unicamente per la corsa corrente.

## Revisione della verifica pre-corsa

Il sistema verifica tutti i componenti della corsa, lo spazio su disco e le connessioni di rete prima di avviare la corsa.

Se uno o più degli elementi controllati non superano la verifica pre-corsa, appare un messaggio con le istruzioni per correggere l'errore. Per maggiori informazioni, vedere *Risoluzione degli errori d'impostazione corsa a pagina 47*.

Dopo che tutte le voci hanno superato con successo la verifica pre-corsa, selezionare **Start Run** (Avvia corsa).

## Note importanti prima di avviare la corsa



### AVVERTENZA

MiSeq è sensibile alle vibrazioni. Toccare lo strumento dopo l'avvio di una corsa può incidere negativamente sui risultati del sequenziamento.

Dopo aver selezionato **Start Run** (Avvia corsa), non aprire lo sportello dello scomparto della cella a flusso o lo sportello dello scomparto reagenti, né toccare il monitor dello strumento a meno che non si desideri sospendere la corsa. Per maggiori informazioni, vedere *Sospensione di una corsa a pagina 45*.

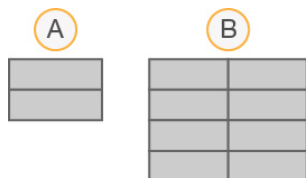


### AVVERTENZA

Assicurarsi di chiudere tutti i file su MiSeq prima di avviare una corsa; non aprire i file durante una corsa.

## Monitoraggio della corsa

- 1 Durante la corsa, monitorarne l'avanzamento, le intensità e i punteggi qualitativi che vengono visualizzati sulla schermata Sequencing (Sequenziamento). La schermata Sequencing (Sequenziamento) è di sola visualizzazione.  
Per monitorare la corsa nei dettagli, utilizzare Sequencing Analysis Viewer (SAV) installato su un computer indipendente da quello dello strumento. Occorre una connessione alla rete.  
Oppure, se è disponibile la connessione a BaseSpace, è possibile monitorare la corsa utilizzando SAV in BaseSpace.
  - ▶ **Run progress** (Avanzamento della corsa): mostra l'avanzamento della corsa in una barra di stato ed elenca il numero di cicli completati.
  - ▶ **Intensity** (Intensità): mostra il valore delle intensità dei cluster per il 90° percentile per ciascuna tile. Il grafico dell'area Intensity (Intensità) rappresenta il numero di tile e il numero di superfici sottoposti a imaging:
    - ▶ Se la cella a flusso è sottoposta a imaging solo sulla superficie superiore, viene visualizzato un grafico a colonna singola.
    - ▶ Se la cella a flusso è sottoposta a imaging sulla superficie superiore e inferiore, viene visualizzato un grafico a due colonne.



- A Indica due tile, solo superficie superiore
- B Indica quattro tile, superficie superiore e inferiore

- ▶ **Q-Score All Cycles** (Punteggi qualitativi per tutti i cicli): mostra la percentuale media di basi con punteggio qualitativo superiore a Q30. Un punteggio qualitativo è una predizione della probabilità di un'errata identificazione delle basi. I punteggi qualitativi (Q-score) sono calcolati dopo il ciclo 25.

Punteggio qualitativo	Probabilità di errata identificazione delle basi
Q40	1 su 10.000
Q30	1 su 1.000
Q20	1 su 100
Q10	1 su 10

- ▶ **Cluster Density K/mm<sup>2</sup>** (Densità dei cluster - K/mm<sup>2</sup>): mostra il numero di cluster per millimetro quadrato, per la corsa.
- ▶ **Clusters Passing Filter (%)** (Cluster che attraversano il filtro - %): mostra la percentuale di cluster che attraversano il filtro basata sul filtro Chastity Illumina, che misura la qualità dell'immagine. Questi dati appaiono solo dopo il ciclo 25.

**NOTA**

Il valore Chastity di una identificazione delle basi è dato dal rapporto di intensità tra il segnale maggiore diviso per la somma dei due segnali maggiori. Le letture non attraversano il filtro qualitativo se è presente più di una identificazione delle basi con valore Chastity inferiore a 0,6 durante i primi 25 cicli.

- ▶ **Estimated Yield (Mb)** (Resa prevista - Mb): mostra il numero previsto di basi identificate per la corsa, misurato in megabasi. Questi dati appaiono solo dopo il ciclo 25.

- 2 Al termine della corsa, compare il pulsante Next (Avanti). Prima di procedere, esaminare i risultati sulla schermata Sequencing (Sequenziamento).

**NOTA**

La schermata Sequencing (Sequenziamento) è visualizzabile finché si seleziona Next (Avanti). Dopo aver selezionato Next (Avanti), non è possibile ritornare alla schermata Sequencing (Sequenziamento).

- 3 Selezionare **Next** (Avanti) per uscire dalla schermata Sequencing (Sequenziamento) e procedere con un lavaggio post-corsa.

## Generazione della griglia per l'identificazione dei cluster

La generazione della griglia per l'identificazione dei cluster è il processo mediante il quale le posizioni dei cluster sull'intera superficie della cella a flusso sono definite in base alle coordinate X e Y. Real-Time analysis (RTA) usa i primi cicli della corsa per la generazione della griglia per l'identificazione dei cluster.

Una volta generata la griglia delle posizioni dei cluster, le immagini generate a ogni successivo ciclo di imaging vengono allineate rispetto alla griglia. Le intensità dei singoli cluster in tutti e quattro i canali cromatici dei nucleotidi possono essere estratte e le identificazioni delle basi possono essere ricavate dalle intensità dei cluster normalizzate.

## Metriche della corsa

Le metriche della corsa appaiono sulla schermata Sequencing (Sequenziamento) in fasi differenti della corsa. Durante le fasi di generazione di cluster non appare alcuna metrica.

Dopo l'inizio del sequenziamento, in corrispondenza dei cicli indicati appaiono le seguenti metriche:

Metrica	Kit	Ciclo
Intensity (Intensità)	MiSeq Reagent Kit, v3	Ciclo 1-7
	MiSeq Reagent Kit, v2	Ciclo 1-4
	MiSeq Reagent Kit, v1	Ciclo 1-4
Intensity (Intensità) e Cluster Density (Densità cluster)	MiSeq Reagent Kit, v3	Ciclo 8-25
	MiSeq Reagent Kit, v2	Ciclo 5-25
	MiSeq Reagent Kit, v1	Ciclo 5-25
Intensity (Intensità), Cluster Density (Densità cluster), % PF (% che attraversa il filtro), Yield (Resa) e Q-scores (Punteggi qualitativi)	MiSeq Reagent Kit, v3	Dal ciclo 26 al termine della corsa
	MiSeq Reagent Kit, v2	
	MiSeq Reagent Kit, v1	

Per maggiori informazioni sulle specifiche delle corse di MiSeq, visitare la pagina delle specifiche del sistema MiSeq sul sito Web Illumina ([www.illumina.com/systems/miseq/performance\\_specifications.ilmn](http://www.illumina.com/systems/miseq/performance_specifications.ilmn)).

## Risultati dell'analisi RTA

L'output dell'analisi RTA ottenuto da una corsa di sequenziamento è costituito da un gruppo di file di identificazione delle basi qualitativamente valutate (\*.bcl), che sono generati dai file delle immagini non elaborate. Per un elenco dei file e delle cartelle di RTA, vedere *Cartelle e file di RTA a pagina 53*.

## Esecuzione di un lavaggio post-corsa

Il lavaggio post-corsa è un lavaggio standard dello strumento eseguito tra le corse di sequenziamento. Al termine di una corsa, eseguire sempre un lavaggio dello strumento. Attenersi alle istruzioni del software per caricare i componenti di lavaggio ed eseguire il lavaggio. Il lavaggio post-corsa impiega circa 20 minuti.

Avviare il lavaggio subito dopo il completamento di una corsa. Un lavaggio dello strumento è richiesto prima di poter impostare una corsa successiva. Per eseguire un lavaggio post-corsa in un momento che non sia subito dopo una corsa, utilizzare il comando sulla schermata Perform Wash (Esecuzione lavaggio) per avviare il lavaggio.



### NOTA

Lasciare la cella a flusso usata nello strumento. Per eseguire un lavaggio dello strumento, è necessario che una cella a flusso sia caricata sullo strumento.

I lavaggi eseguiti regolarmente assicurano la continuità delle prestazioni per i motivi seguenti:

- ▶ Eliminano gli eventuali residui di reagenti dalle linee della fluidica e dai pescanti
- ▶ Impediscono l'accumulo e la cristallizzazione dei sali nelle linee della fluidica e nei pescanti
- ▶ Impediscono la contaminazione incrociata con la corsa precedente

Se si utilizza MCS v2.5 o versione successiva, è a disposizione l'opzione per eseguire un lavaggio post-corsa che includa un lavaggio della linea del template con una soluzione di ipoclorito di sodio (NaOCl). Il lavaggio impiega circa 30 minuti. Vedere *Procedura per il lavaggio della linea del template a pagina 31*.



#### NOTA

Se si sta utilizzando il flusso di lavoro VeriSeq PGS, eseguire i lavaggi post-corsa che includono un lavaggio della linea del template. Vedere *Procedura per il lavaggio della linea del template a pagina 31*.

## Materiali di consumo

- ▶ Tween 20
- ▶ Acqua da laboratorio
- ▶ NaOCl (da utilizzare con un lavaggio post-corsa che include un lavaggio della linea del template)
- ▶ Provetta MiSeq (n. codice MS-102-9999) (per lavaggi post-corsa che includono un lavaggio della linea del template)

## Procedura

- 1 Preparare al momento una soluzione di lavaggio con Tween 20 e acqua da laboratorio:
  - a Dispensare 5 ml di Tween 20 al 100% a 45 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà Tween 20 al 10%.
  - b Dispensare 25 ml di Tween 20 al 10% a 475 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà una soluzione di lavaggio Tween 20 allo 0,5%.
  - c Capovolgere cinque volte per miscelare.
- 2 Preparare i componenti di lavaggio con una soluzione di lavaggio preparata al momento:
  - a Dispensare 6 ml di soluzione di lavaggio a ciascun serbatoio del vassoio di lavaggio.
  - b Dispensare 350 ml di soluzione di lavaggio al flacone di lavaggio da 500 ml.
- 3 Al termine della corsa, selezionare **Start Wash** (Avvia lavaggio).  
Il software solleva automaticamente i pescanti nel vano refrigerato per i reagenti.  
**Non** selezionare **Perform optional template line wash** (Esegui un lavaggio facoltativo della linea del template) sulla schermata Post-Run wash (Lavaggio post-corsa). Il lavaggio della linea del template richiede una procedura diversa. Vedere *Procedura per il lavaggio della linea del template a pagina 31*.
- 4 Aprire lo sportello dello scomparto reagenti e lo sportello del vano refrigerato per i reagenti e far scorrere la cartuccia di reagenti usata dal vano refrigerato.
- 5 Far scorrere il vassoio di lavaggio all'interno del vano refrigerato per i reagenti finché non si arresta in posizione, quindi chiudere lo sportello del vano refrigerato.
- 6 Sollevare la maniglia del pettine di aspirazione di fronte ai flaconi di PR2 e degli scarti finché non si blocca in sede.
- 7 Rimuovere il flacone di PR2 e sostituirlo con un flacone di lavaggio.



#### NOTA

Dopo ogni corsa smaltire il flacone di PR2. Non riutilizzare alcun PR2 residuo.



- 8 Rimuovere il flacone degli scarti ed eliminarne il contenuto seguendo le opportune procedure di smaltimento. Riposizionare il flacone degli scarti nello scomparto reagenti.



#### AVVERTENZA

Questo set di reagenti contiene materiali chimici potenzialmente pericolosi. L'inalazione, l'ingestione, il contatto con la pelle o con gli occhi possono causare lesioni personali. Indossare l'attrezzatura protettiva, inclusi protezione per gli occhi, guanti e indumento da laboratorio appropriato per evitare i rischi di esposizione. Manipolare i reagenti usati come rifiuti chimici e smaltirli in base alle leggi e alle regolamentazioni applicabili a livello regionale, nazionale e locale. Per ulteriori informazioni ambientali, di salute e di sicurezza, vedere le SDS alla pagina Web [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html).

- 9 Abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di lavaggio e degli scarti.
- 10 Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 11 Selezionare **Next** (Avanti).

Dopo il completamento del lavaggio, lasciare sullo strumento la cella a flusso usata, il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio contenente la soluzione di lavaggio residua.



#### NOTA

I pescanti rimangono nella posizione abbassata, il che è normale. Lasciare la soluzione di lavaggio non utilizzata nel vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio per evitare che i pescanti si asciughino e che entri aria nel sistema.

## Procedura per il lavaggio della linea del template

- 1 Preparare al momento una soluzione di lavaggio con Tween 20 e acqua da laboratorio:
  - a Dispensare 5 ml di Tween 20 al 100% a 45 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà Tween 20 al 10%.
  - b Dispensare 25 ml di Tween 20 al 10% a 475 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà una soluzione di lavaggio Tween 20 allo 0,5%.
  - c Capovolgere cinque volte per miscelare.
- 2 Preparare al momento una soluzione di lavaggio di NaOCl con acqua da laboratorio:
  - a Dispensare 36 µl di NaOCl al 5% a 864 µl di acqua da laboratorio. Questi volumi forniscono una diluizione di NaOCl 1:25.
  - b Dispensare 50 µl di NaOCl 1:25 a 950 µl di acqua da laboratorio in una provetta MiSeq (n. codice MS-102-9999).



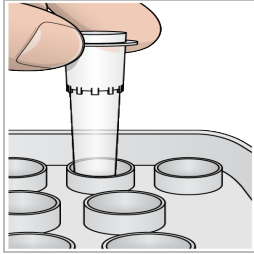
#### NOTA

È importante utilizzare una concentrazione corretta di NaOCl. Assicurarsi di verificare la percentuale di NaOCl sull'etichetta del prodotto. Se la concentrazione è troppo alta, potrebbe impedire la generazione di cluster nelle corse successive. Se non è disponibile NaOCl al 5%, preparare una soluzione di 1 ml di NaOCl allo 0,01% in acqua da laboratorio. **Non** utilizzare NaOCl per un lavaggio di manutenzione o un lavaggio di standby.

- 3 Preparare i componenti di lavaggio con una soluzione di lavaggio preparata al momento:
  - a Dispensare 6 ml di soluzione di lavaggio a ciascun serbatoio del vassoio di lavaggio.
  - b Dispensare 350 ml di soluzione di lavaggio al flacone di lavaggio da 500 ml.

- Inserire la provetta MiSeq contenente la soluzione di lavaggio di NaOCl allo 0,01% nella posizione 17 del vassoio di lavaggio fino a quando il collo della provetta viene lavato con il vassoio. La provetta sposta la soluzione di lavaggio composta da Tween 20 e acqua da laboratorio nella posizione 17.

**Figura 22** Provetta MiSeq nella posizione 17 del vassoio di lavaggio



#### NOTA

Assicurarsi di inserire la provetta MiSeq con NaOCl solo nella posizione 17 del vassoio. Se la provetta viene inserita in un'altra posizione potrebbe causare la mancata generazione di cluster nelle corse successive e danneggiare il sistema di fluidica dello strumento MiSeq.

- Al termine della corsa, selezionare **Start Wash** (Avvia lavaggio). Il software solleva automaticamente i pescanti nel vano refrigerato per i reagenti.
- Selezionare **Perform optional template line wash** (Esegui un lavaggio facoltativo della linea del template) sulla schermata Post-Run Wash (Lavaggio post-corsa).  
Quando si utilizza il flusso di lavoro VeriSeq PGS, l'opzione **Perform optional template line wash** (Esegui un lavaggio facoltativo della linea del template) è preselezionata. MCS monitora il tipo di lavaggio post-corsa eseguito dopo ogni corsa. Se **Perform optional template line wash** (Esegui un lavaggio facoltativo della linea del template) non è selezionato per il lavaggio post-corsa, sulla schermata Run Review (Revisione corsa) compare un messaggio che ricorda all'utente di eseguire il lavaggio all'avvio della successiva corsa di sequenziamento.
- Aprire lo sportello dello scomparto reagenti e lo sportello del vano refrigerato per i reagenti e far scorrere la cartuccia di reagenti usata dal vano refrigerato.
- Far scorrere il vassoio di lavaggio all'interno del vano refrigerato per i reagenti finché non si arresta in posizione, quindi chiudere lo sportello del vano refrigerato.
- Sollevare la maniglia del pettine di aspirazione di fronte ai flaconi di PR2 e degli scarti finché non si blocca in sede.
- Rimuovere il flacone di PR2 e sostituirlo con un flacone di lavaggio.



#### NOTA

Dopo ogni corsa smaltire il flacone di PR2. Non riutilizzare alcun PR2 residuo.

- Rimuovere il flacone degli scarti ed eliminarne il contenuto seguendo le opportune procedure di smaltimento. Riposizionare il flacone degli scarti nello scomparto reagenti.



#### AVVERTENZA

Questo set di reagenti contiene materiali chimici potenzialmente pericolosi. L'inalazione, l'ingestione, il contatto con la pelle o con gli occhi possono causare lesioni personali. Indossare l'attrezzatura protettiva, inclusi protezione per gli occhi, guanti e indumento da laboratorio appropriato per evitare i rischi di esposizione. Manipolare i reagenti usati come rifiuti chimici e smaltirli in base alle leggi e alle regolamentazioni applicabili a livello regionale, nazionale e locale. Per ulteriori informazioni ambientali, di salute e di sicurezza, vedere le SDS alla pagina Web [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html).

- 12 Abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di lavaggio e degli scarti.
- 13 Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 14 Selezionare **Next** (Avanti).

Dopo il completamento del lavaggio, lasciare sullo strumento la cella a flusso usata, il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio contenente la soluzione di lavaggio residua.



#### NOTA

I pescanti rimarranno nella posizione abbassata. Lasciare la soluzione di lavaggio non utilizzata nel vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio per evitare che i pescanti si asciughino e che entri aria nel sistema.



# Capitolo 4 Manutenzione

Frequenza di manutenzione .....	35
Frequenza di manutenzione per il flusso di lavoro VeriSeq PGS .....	35
Esecuzione di un lavaggio di manutenzione .....	36
Esecuzione di un lavaggio di standby .....	38
Manage Files (Gestione file) .....	40
Aggiornamenti del software .....	41
Spegnimento dello strumento .....	42

## Frequenza di manutenzione

Eseguire le seguenti procedure di manutenzione agli intervalli raccomandati.



### NOTA

Se si sta eseguendo il flusso di lavoro VeriSeq PGS, assicurarsi di attenersi alle linee guida sulla frequenza della manutenzione per VeriSeq PGS. Vedere *Frequenza di manutenzione per il flusso di lavoro VeriSeq PGS* a pagina 35.

**Tabella 2** Manutenzione durante il normale funzionamento

Attività	Frequenza
Lavaggio post-corsa	Dopo ogni corsa
Lavaggio di manutenzione	Mensilmente
Lavaggio di standby	Per preparare lo strumento per la modalità inattiva (se non viene usato per $\geq 7$ giorni) e ogni 30 giorni di inattività
Spegnimento dello strumento	Secondo necessità

**Tabella 3** Manutenzione durante la modalità inattiva (non usato per  $\geq 7$  giorni)

Attività	Frequenza
Lavaggio di standby	Mensilmente
Spegnimento dello strumento	Secondo necessità

## Frequenza di manutenzione per il flusso di lavoro VeriSeq PGS

Quando si esegue il flusso di lavoro VeriSeq PGS, eseguire le seguenti procedure di manutenzione agli intervalli raccomandati.

**Tabella 4** Manutenzione durante il normale funzionamento

Attività	Frequenza
Lavaggio post-corsa	Dopo ogni corsa
Lavaggio di manutenzione	Mensilmente
Lavaggio post-corsa dalla schermata Perform Wash (Esecuzione lavaggio)	Dopo la modalità inattiva (non utilizzato per più di tre giorni)
Lavaggio di standby	Per preparare lo strumento per la modalità inattiva (se non viene usato per $\geq 7$ giorni) e ogni 30 giorni di inattività
Spegnimento dello strumento	Secondo necessità

**Tabella 5 Manutenzione durante la modalità inattiva (non usato per  $\geq 7$  giorni)**

Attività	Frequenza
Lavaggio di standby	Mensilmente
Spegnimento dello strumento	Secondo necessità

## Esecuzione di un lavaggio di manutenzione

Eseguire un lavaggio di manutenzione ogni 30 giorni per garantire prestazioni ottimali.

Il lavaggio di manutenzione impiega circa 90 minuti. Il lavaggio include una serie di tre fasi di lavaggio che lavano completamente il sistema.

È possibile configurare lo strumento affinché esegua un lavaggio di manutenzione tra le corse. Per maggiori informazioni, vedere *Personalizzazione delle impostazioni del sistema* a pagina 13.

### Materiali di consumo forniti dall'utente

- ▶ Tween 20 (Sigma-Aldrich, n. di catalogo P7949)
- ▶ Acqua da laboratorio

### Procedura

- 1 Accertarsi che una cella a flusso usata sia caricata sullo strumento.
- 2 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Perform Wash** (Esecuzione lavaggio).
- 3 Nella schermata Perform Wash (Esecuzione lavaggio), selezionare **Perform Maintenance Wash** (Esegui lavaggio di manutenzione).  
Il software solleva automaticamente i pescanti nel vano refrigerato per i reagenti.

### Esecuzione del primo lavaggio

- 1 Preparare al momento una soluzione di lavaggio con Tween 20 e acqua da laboratorio:
  - a Dispensare 5 ml di Tween 20 al 100% a 45 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà Tween 20 al 10%.
  - b Dispensare 25 ml di Tween 20 al 10% a 475 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà una soluzione di lavaggio Tween 20 allo 0,5%.
  - c Capovolgere cinque volte per miscelare.
- 2 Preparare i componenti di lavaggio con una soluzione di lavaggio preparata al momento:
  - a Dispensare 6 ml di soluzione di lavaggio a ciascun serbatoio del vassoio di lavaggio.
  - b Dispensare 350 ml di soluzione di lavaggio al flacone di lavaggio da 500 ml.
- 3 Caricare sullo strumento il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio:
  - a Aprire lo sportello dello scomparto reagenti e lo sportello del vano refrigerato per i reagenti e far scorrere la cartuccia di reagenti usata o il vassoio di lavaggio dal vano refrigerato per i reagenti.
  - b Far scorrere il vassoio di lavaggio all'interno del vano refrigerato per i reagenti finché non si arresta. Chiudere lo sportello del vano refrigerato per i reagenti.
  - c Sollevare la maniglia del pettine di aspirazione di fronte al flacone di PR2 e al flacone degli scarti finché non si blocca in sede e sostituire il flacone di PR2 con il flacone di lavaggio.

**NOTA**

Dopo ogni corsa smaltire il flacone di PR2. Non riutilizzare alcun PR2 residuo.

- a Rimuovere il flacone degli scarti ed eliminarne il contenuto seguendo le opportune procedure di smaltimento. Riposizionare il flacone degli scarti nello scomparto reagenti.
  - b Abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di lavaggio e degli scarti.
  - c Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 4 Selezionare **Next** (Avanti). Il primo lavaggio ha inizio.

## Esecuzione del secondo lavaggio

Per ciascuna fase di lavaggio usare sempre una soluzione di lavaggio preparata al momento. Il riutilizzo di soluzione di lavaggio da un lavaggio precedente può riportare degli scarti nelle linee della fluidica.

- 1 Preparare al momento una soluzione di lavaggio con Tween 20 e acqua da laboratorio nel modo seguente:
  - a Dispensare 5 ml di Tween 20 al 100% a 45 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà Tween 20 al 10%.
  - b Dispensare 25 ml di Tween 20 al 10% a 475 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà una soluzione di lavaggio Tween 20 allo 0,5%.
  - c Capovolgere cinque volte per miscelare.
- 2 Al termine del primo lavaggio, rimuovere il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio e smaltire la soluzione di lavaggio rimanente.
- 3 Riempire di nuovo i componenti di lavaggio con soluzione di lavaggio preparata al momento nel modo seguente:
  - a Dispensare 6 ml di soluzione di lavaggio a ciascun serbatoio del vassoio di lavaggio.
  - b Dispensare 350 ml di soluzione di lavaggio al flacone di lavaggio da 500 ml.
- 4 Caricare il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio nel modo seguente:
  - a Far scorrere il vassoio di lavaggio all'interno del vano refrigerato per i reagenti finché non si arresta. Chiudere lo sportello del vano refrigerato per i reagenti.
  - b Caricare il flacone di lavaggio e abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di lavaggio e degli scarti.
  - c Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 5 Selezionare **Next** (Avanti). Il secondo lavaggio ha inizio.

## Esecuzione del lavaggio finale

- 1 Preparare al momento una soluzione di lavaggio con Tween 20 e acqua da laboratorio:
  - a Dispensare 5 ml di Tween 20 al 100% a 45 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà Tween 20 al 10%.
  - b Dispensare 25 ml di Tween 20 al 10% a 475 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà una soluzione di lavaggio Tween 20 allo 0,5%.
  - c Capovolgere cinque volte per miscelare.

- 2 Al termine del secondo lavaggio, rimuovere il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio e smaltire la soluzione di lavaggio rimanente.
- 3 Rabboccare i componenti di lavaggio con una soluzione di lavaggio preparata al momento:
  - a Dispensare 6 ml di soluzione di lavaggio a ciascun serbatoio del vassoio di lavaggio.
  - b Dispensare 350 ml di soluzione di lavaggio al flacone di lavaggio da 500 ml.
- 4 Caricare il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio:
  - a Far scorrere il vassoio di lavaggio all'interno del vano refrigerato per i reagenti finché non si arresta. Chiudere lo sportello del vano refrigerato per i reagenti.
  - b Caricare il flacone di lavaggio e abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di lavaggio e degli scarti.
  - c Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 5 Selezionare **Next** (Avanti). Il lavaggio finale ha inizio.

## Dopo il lavaggio

Dopo il completamento del lavaggio, lasciare sullo strumento la cella a flusso usata, il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio contenente la soluzione di lavaggio residua.



### NOTA

I pescanti rimangono nella posizione abbassata, il che è normale. Lasciare la soluzione di lavaggio non utilizzata nel vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio per evitare che i pescanti si asciughino e che entri aria nel sistema.

## Esecuzione di un lavaggio di standby

Nel caso si preveda di non utilizzare lo strumento nei sette giorni successivi, preparare lo strumento e le linee della fluidica dello strumento per lo stato di inattività (idle) eseguendo un lavaggio di standby. Quando lo strumento è inattivo, eseguire un lavaggio di standby ogni 30 giorni.

Il lavaggio di standby impiega circa due ore. Il lavaggio esegue due lavaggi consecutivi, che puliscono ogni posizione eliminando qualsiasi reagente residuo o accumulo dei sali. Ciascun lavaggio dura circa 60 minuti.

Al termine del lavaggio di standby, lo strumento è in modalità di standby e appare un messaggio sulla schermata Home (Inizio) che indica lo stato dello strumento. Quando lo strumento è in modalità di standby, deve essere eseguito un lavaggio di manutenzione prima di poter avviare una corsa di sequenziamento.

## Materiali di consumo forniti dall'utente

- ▶ Tween 20 (Sigma-Aldrich, n. di catalogo P7949)
- ▶ Acqua da laboratorio

## Procedura

- 1 Accertarsi che una cella a flusso usata sia caricata sullo strumento.
- 2 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Perform Wash** (Esecuzione lavaggio).
- 3 Nella schermata Wash Options (Opzioni lavaggio), selezionare **Perform Standby Wash** (Esegui lavaggio di standby).  
Il software solleva automaticamente i pescanti nel vano refrigerato per i reagenti.



## Esecuzione del primo lavaggio

- 1 Preparare al momento una soluzione di lavaggio con Tween 20 e acqua da laboratorio:
  - a Dispensare 5 ml di Tween 20 al 100% a 45 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà Tween 20 al 10%.
  - b Dispensare 25 ml di Tween 20 al 10% a 475 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà una soluzione di lavaggio Tween 20 allo 0,5%.
  - c Capovolgere cinque volte per miscelare.
- 2 Preparare i componenti di lavaggio con una soluzione di lavaggio preparata al momento:
  - a Dispensare 6 ml di soluzione di lavaggio a ciascun serbatoio del vassoio di lavaggio.
  - b Dispensare 350 ml di soluzione di lavaggio al flacone di lavaggio da 500 ml.
- 3 Caricare sullo strumento il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio:
  - a Aprire lo sportello dello scomparto reagenti e lo sportello del vano refrigerato per i reagenti e far scorrere la cartuccia di reagenti usata o il vassoio di lavaggio dal vano refrigerato per i reagenti.
  - b Far scorrere il vassoio di lavaggio all'interno del vano refrigerato per i reagenti finché non si arresta. Chiudere lo sportello del vano refrigerato per i reagenti.
  - c Sollevare la maniglia del pettine di aspirazione di fronte al flacone di PR2 e al flacone degli scarti finché non si blocca in sede e sostituire il flacone di PR2 con il flacone di lavaggio.



### NOTA

Dopo ogni corsa smaltire il flacone di PR2. Non riutilizzare alcun PR2 residuo.

- a Rimuovere il flacone degli scarti ed eliminarne il contenuto seguendo le opportune procedure di smaltimento. Riposizionare il flacone degli scarti nello scomparto reagenti.
  - b Abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di lavaggio e degli scarti.
  - c Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 4 Selezionare **Next** (Avanti). Il primo lavaggio ha inizio.

## Esecuzione del secondo lavaggio

Per ciascuna fase di lavaggio usare sempre una soluzione di lavaggio preparata al momento. Il riutilizzo di soluzione di lavaggio da un lavaggio precedente può riportare degli scarti nelle linee della fluidica.

- 1 Preparare al momento una soluzione di lavaggio con Tween 20 e acqua da laboratorio nel modo seguente:
  - a Dispensare 5 ml di Tween 20 al 100% a 45 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà Tween 20 al 10%.
  - b Dispensare 25 ml di Tween 20 al 10% a 475 ml di acqua da laboratorio. Con questi volumi si otterrà una soluzione di lavaggio Tween 20 allo 0,5%.
  - c Capovolgere cinque volte per miscelare.
- 2 Al termine del primo lavaggio, rimuovere il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio e smaltire la soluzione di lavaggio rimanente.
- 3 Riempire di nuovo i componenti di lavaggio con soluzione di lavaggio preparata al momento nel modo seguente:

- a Dispensare 6 ml di soluzione di lavaggio a ciascun serbatoio del vassoio di lavaggio.
  - b Dispensare 350 ml di soluzione di lavaggio al flacone di lavaggio da 500 ml.
- 4 Caricare il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio nel modo seguente:
- a Far scorrere il vassoio di lavaggio all'interno del vano refrigerato per i reagenti finché non si arresta. Chiudere lo sportello del vano refrigerato per i reagenti.
  - b Caricare il flacone di lavaggio e abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di lavaggio e degli scarti.
  - c Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 5 Selezionare **Next** (Avanti). Il secondo lavaggio ha inizio.

## Dopo il lavaggio

Dopo il completamento del lavaggio, lasciare sullo strumento la cella a flusso usata, il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio contenente la soluzione di lavaggio residua.



### NOTA

I pescanti rimangono nella posizione abbassata, il che è normale. Lasciare la soluzione di lavaggio non utilizzata nel vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio per evitare che i pescanti si asciughino e che entri aria nel sistema.

## Manage Files (Gestione file)

Selezionare Manage Files (Gestione file) sulla schermata Home (Inizio) per spostare, caricare, eliminare i file oppure rinominare i fogli campioni sul computer dello strumento.

### Eliminazione dei file

- 1 Da qualsiasi scheda della schermata Manage Files (Gestione file), selezionare **Browse** (Sfoglia) per visualizzare i file accessibili allo strumento.
- 2 Selezionare dalle seguenti opzioni:
  - ▶ Selezionare la casella di controllo accanto ai singoli file o cartelle nell'elenco.
  - ▶ Selezionare la casella di controllo sulla sinistra del pulsante Delete (Elimina) per eliminare tutti i file e le cartelle contenuti nell'elenco. Questa opzione è disponibile per Runs (Corse), Sample Sheets (Fogli campioni), Manifests (File manifest), Genomes (Genomi) e Recipes (Ricette).
- 3 Selezionare **Delete** (Elimina).



### NOTA

Il comando Delete (Elimina) è disponibile su tutte le schede fatta eccezione per Bundle Logs (Raggruppa file di registro).

## Spostamento delle cartelle delle corse

Il comando Move (Sposta) *copia* la cartella della corsa nella nuova posizione indicata, quindi *elimina* la cartella dalla posizione precedente.

- 1 Dalla scheda Runs (Corse) della schermata Manage Files (Gestione file), selezionare **Browse** (Sfoglia) per visualizzare i file accessibili allo strumento.
- 2 Selezionare la casella di controllo accanto ai singoli file o cartelle nell'elenco.
- 3 Selezionare **Move** (Sposta).
- 4 Selezionare **Browse Network** (Sfoglia rete) e selezionare la nuova posizione per i file o le cartelle.
- 5 Selezionare **OK** (Ok).

## Caricamento dei file

Il comando Upload (Carica) è disponibile per Sample Sheets (Fogli campioni), Manifests (File manifest), Genomes (Genomi) e Recipes (Ricette). Se MiSeq non è connesso a una rete, utilizzare questa funzione per caricare i file nel computer dello strumento da un dispositivo USB.

- 1 Dalla scheda della schermata Manage Files (Gestione file), selezionare **Browse** (Sfoglia) per visualizzare i file accessibili allo strumento.
- 2 Selezionare **Upload** (Carica).
- 3 Selezionare **Browse Network** (Sfoglia rete) e individuare la posizione del file su un dispositivo USB.
- 4 Selezionare **OK** (Ok).  
Il file viene caricato nella cartella indicata nel campo Directory (Directory).

## Ridenominazione dei fogli campioni

- 1 Dalla scheda Sample Sheets (Fogli campioni) della schermata Manage Files (Gestione file), selezionare dalle seguenti opzioni:
  - ▶ Selezionare la casella di controllo accanto ai singoli fogli campioni.
  - ▶ Selezionare la casella di controllo sulla sinistra del pulsante Delete (Elimina) per selezionare tutti i fogli campioni contenuti nell'elenco.
- 2 Selezionare **Rename** (Rinomina).
- 3 Selezionare l'icona della tastiera e utilizzare la tastiera sullo schermo per rinominare i fogli campioni.
- 4 Selezionare **Next** (Avanti).
- 5 Selezionare **Back** (Indietro).

## Aggiornamenti del software

Se il sistema è collegato a una rete con accesso a Internet, è possibile aggiornare automaticamente il software dello strumento dalla schermata Home (Inizio). È inoltre possibile configurare il software per controllare automaticamente gli aggiornamenti di BaseSpace. Per maggiori informazioni, vedere [Configurazione delle notifiche per gli aggiornamenti di BaseSpace a pagina 14](#).

Se lo strumento non è connesso a una rete con accesso a Internet, il software può essere aggiornato manualmente.

## Aggiornamento automatico del software

Non appena sono disponibili aggiornamenti software, nella schermata Home (Inizio) appare il pulsante **Update Available** (Aggiornamento disponibile). Altrimenti questo pulsante non è visibile. Per attivare questa opzione, assicurarsi che MiSeq sia connesso a una rete con accesso a Internet.

- 1 Dalla schermata Home (Inizio), selezionare **Update Available** (Aggiornamento disponibile).
- 2 Nella finestra di dialogo confermare il comando per l'aggiornamento.  
È richiesto il riavvio dello strumento. L'installazione dell'aggiornamento inizia automaticamente dopo il riavvio.

## Aggiornamento manuale del software

La funzione Manual Update (Aggiornamento manuale) permette di aggiornare il software di controllo dello strumento e il software di analisi dall'interfaccia di MiSeq andando alla posizione del file del software installabile.

- 1 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Manage Instrument** (Gestione strumento).
- 2 Selezionare **Software Update** (Aggiornamento software).
- 3 Selezionare **Browse** (Sfoglia) per aprire il percorso del file installabile con la nuova versione del software.
- 4 Quando appare sullo schermo il percorso del file installabile del software, selezionare **Save and Update** (Salva e aggiorna).
- 5 Nella finestra di dialogo confermare il comando per l'aggiornamento.  
È richiesto il riavvio dello strumento. L'installazione dell'aggiornamento inizia automaticamente dopo il riavvio.

## Spegnimento dello strumento

Di norma, si consiglia di lasciare lo strumento sempre acceso. Tuttavia, nel caso sia necessario spegnere lo strumento, attenersi alla procedura seguente per spegnere Windows e preparare le linee della fluidica.

- 1 Eseguire un lavaggio di manutenzione. Per maggiori informazioni, vedere *Esecuzione di un lavaggio di manutenzione a pagina 36*.
- 2 Rimuovere il flacone degli scarti ed eliminarne il contenuto seguendo le opportune procedure di smaltimento. Riposizionare il flacone degli scarti nello scomparto reagenti.
- 3 Chiudere lo sportello dello scomparto reagenti.
- 4 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Manage Instrument** (Gestione strumento).
- 5 Selezionare **Shut Down** (Spegni).  
Questo comando spegne il software.
- 6 Portare l'interruttore di alimentazione nella posizione OFF.



### NOTA

Ogni volta che lo strumento viene spento, attendere **almeno** 60 secondi prima di riaccenderlo premendo l'interruttore di alimentazione in posizione ON.

# Appendice A Risoluzione dei problemi

Introduzione .....	43
Bundle Logs (Raggruppa file di registro) per la risoluzione dei problemi .....	43
Esecuzione di una verifica del sistema .....	45
Sospensione o arresto di una corsa .....	45
Sollevamento manuale dei pescanti della cartuccia di reagenti .....	46
Risoluzione degli errori d'impostazione corsa .....	47
Risoluzione degli errori di lettura dell'etichetta RFID .....	47
Esecuzione di Volume Test (Test volume) .....	48
Misurazione dei volumi di lavaggio previsti .....	49
Configurazione delle impostazioni del sistema .....	50

## Introduzione

Questa sezione descrive i comuni passaggi per la risoluzione dei problemi da eseguire prima di rivolgersi all'Assistenza Tecnica Illumina. Per la maggior parte dei problemi, appare un messaggio sullo schermo con istruzioni per la risoluzione.

Per eventuali domande tecniche, visitare le pagine di supporto di MiSeq sul sito Web Illumina per accedere alle domande frequenti, oppure accedere al proprio account MyIllumina per prendere visione dei bollettini di assistenza.

Per problemi relativi alla qualità della corsa o alle prestazioni, rivolgersi all'Assistenza Tecnica Illumina. Per maggiori informazioni, vedere *Assistenza Tecnica a pagina 59*.

Un addetto dell'Assistenza Tecnica Illumina di solito richiede le copie di file specifici della corsa, al fine di risolvere il problema. È possibile utilizzare la scheda Bundle Logs (Raggruppa file di registro) sulla schermata Manage Files (Gestione file) per raggruppare e comprimere in formato zip i file richiesti per la risoluzione dei problemi. Vedere *Bundle Logs (Raggruppa file di registro) per la risoluzione dei problemi a pagina 43*.

## Bundle Logs (Raggruppa file di registro) per la risoluzione dei problemi

Bundle Logs (Raggruppa file di registro) è una funzione che raggruppa i file da inviare all'Assistenza Tecnica Illumina per la risoluzione dei problemi. Usare la scheda Bundle Logs (Raggruppa file di registro) sulla schermata Manage Files (Gestione file) per selezionare un gruppo di file, chiamato *raggruppamento*. Il raggruppamento viene automaticamente compresso in formato zip.

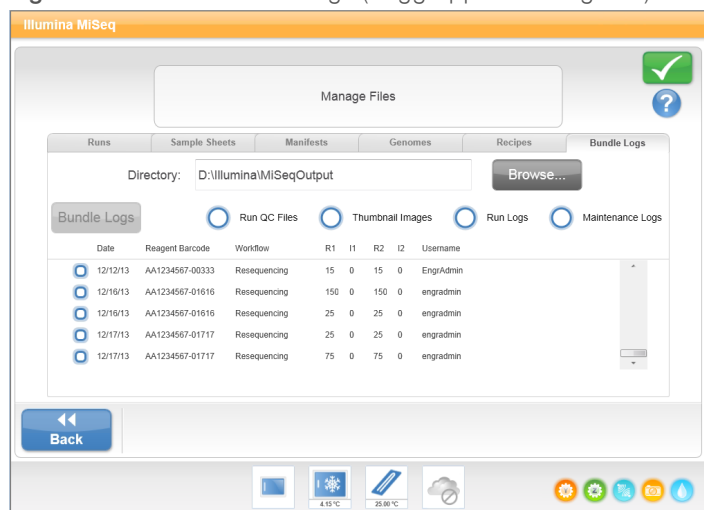
La funzione Bundle Logs (Raggruppa file di registro) raggruppa i file di una corsa in un tipo di raggruppamento alla volta. Ripetere la procedura di raggruppamento per ogni corsa e tipo di raggruppamento richiesti dall'Assistenza Tecnica Illumina.

- 1 Sulla schermata Manage Files (Gestione file), selezionare la scheda **Bundle Logs** (Raggruppa file di registro).
- 2 Selezionare **Browse** (Sfogliare) per andare alla cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq).
- 3 Fare clic sulla casella blu accanto alla corsa e sul cerchio blu accanto al tipo di raggruppamento richiesto dall'Assistenza Tecnica Illumina.
- 4 Selezionare **Bundle Logs** (Raggruppa file di registro).  
Viene visualizzata una schermata Bundle Files (Raggruppa file di registro) con le informazioni relative al raggruppamento, incluso un elenco di singoli file contenuti nel raggruppamento.

Per maggiori informazioni sui singoli file e cartelle della funzione Bundle Logs (Raggruppa file di registro), vedere *MiSeq Output and Analysis Folders Quick Reference Card (documento n. 15034791)* (Scheda di consultazione rapida per le cartelle di output e di analisi di MiSeq).

- 5 Selezionare **Next** (Avanti).
- 6 Andare alla posizione in cui si desidera salvare i file raggruppati compressi in formato zip.
- 7 Selezionare **Save** (Salva).  
Quando i file sono stati raggruppati, si apre nuovamente la scheda Bundle Logs (Raggruppa file di registro).
- 8 Inviare il raggruppamento compresso all'Assistenza Tecnica Illumina.

**Figura 23** Scheda Bundle Logs (Raggruppa file di registro)



## Esecuzione di una verifica del sistema

La funzione System Check (Verifica sistema) di norma è utilizzata per collegarsi ad un addetto dell'Assistenza Tecnica Illumina durante una sessione Live Help (Assistenza in diretta). L'uso di questa funzione non è necessario durante il normale funzionamento o per la manutenzione dello strumento.

Alcuni controlli di sistema possono essere eseguiti prima di rivolgersi all'Assistenza Tecnica Illumina, ad esempio il Volume Test (Test volume). Il test volume verifica il corretto stato del sistema di fluidica stimando il volume del flusso al passaggio delle bolle tra i sensori. Per maggiori informazioni, vedere *Esecuzione di Volume Test (Test volume)* a pagina 48.

- 1 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Manage Instrument** (Gestione strumento).
- 2 Selezionare **System Check** (Verifica sistema).
- 3 Eseguire una delle operazioni seguenti:
  - ▶ Selezionare i singoli test da eseguire.
  - ▶ Scegliere **Select All** (Seleziona tutti) per eseguire tutti i test.
- 4 Selezionare **Next** (Avanti).  
Una volta completati i test, i risultati sono visualizzati sulla schermata.
- 5 **[Facoltativo]** Selezionare **Show Details** (Mostra dettagli) per visualizzare un riepilogo dei risultati sull'interfaccia software.
- 6 **[Facoltativo]** Selezionare **Export Results** (Esporta risultati) per esportare i risultati in formato \*.csv su un dispositivo USB.
- 7 Selezionare **Done** (Fatto).

## Sospensione o arresto di una corsa

MiSeq è progettato per completare una corsa dall'inizio alla fine senza l'intervento dell'utente. È tuttavia possibile sospendere o arrestare una corsa dalla schermata Sequencing (Sequenziamento).

### Sospensione di una corsa

È possibile sospendere temporaneamente una corsa prima del suo completamento. Ad esempio, se si pensa che il flacone degli scarti sia pieno, è possibile sospendere una corsa. È possibile riprendere le corse sospese.



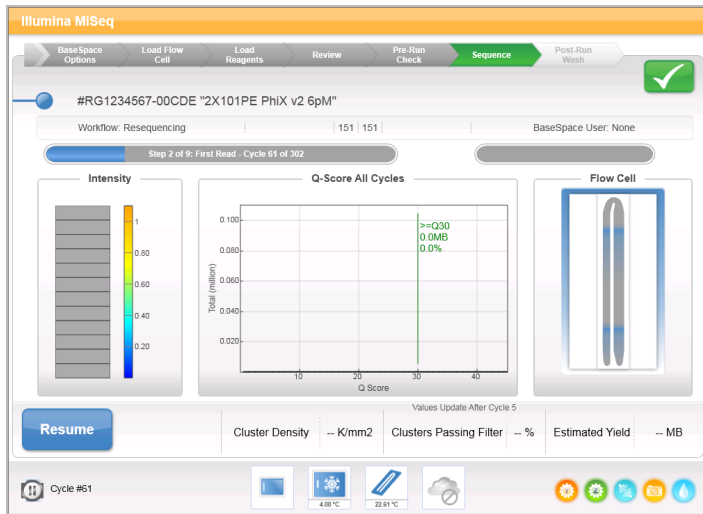
#### ATTENZIONE

Non sospendere una corsa durante la generazione di cluster o nei primi otto cicli di sequenziamento. Non è possibile riprendere una corsa che è stata sospesa in queste fasi. Vedere *Metriche della corsa* a pagina 29 per informazioni sui cicli riguardanti i kit della cartuccia di reagenti MiSeq.

Quando si seleziona **Pause** (Pausa), l'attuale comando viene portato a termine prima della sospensione della corsa e la cella a flusso viene messa in uno stato sicuro.

Per sospendere la corsa dalla schermata Sequencing (Sequenziamento), selezionare **Pause** (Pausa). Il pulsante passa a **Resume** (Riprendi). Quando si è pronti a riprendere la corsa, selezionare **Resume** (Riprendi).

Figura 24 Schermata Sequence (Sequenziamento) di una corsa sospesa

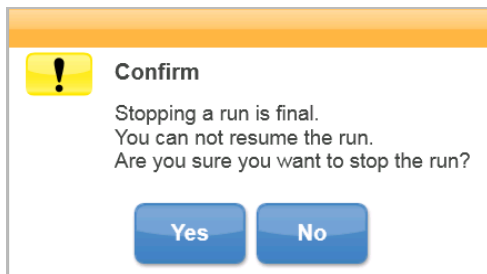


## Arresto di una corsa

L'utente può arrestare una corsa durante il sequenziamento prima che la corsa sia giunta a termine utilizzando il pulsante **Stop** (Arresta) sulla schermata Sequencing (Sequenziamento). È possibile arrestare una corsa in caso di errata impostazione, se la qualità dei dati è insoddisfacente o se si verifica un errore hardware.

Quando si arresta una corsa, l'esecuzione del comando corrente non viene portata a termine e il piano portacelle si sposta nella posizione di espulsione. Il software Real-Time Analysis continua l'analisi per l'ultimo ciclo completato.

Figura 25 Arresto di una corsa



*L'arresto di una corsa è definitivo.* Una corsa arrestata non può essere ripresa. Si può solo passare al lavaggio dello strumento.

## Sollevamento manuale dei pescanti della cartuccia di reagenti

I pescanti della cartuccia di reagenti potrebbero non sollevarsi automaticamente se una corsa viene interrotta inaspettatamente o si verifica un errore durante la corsa. Per rimuovere la cartuccia di reagenti, sollevare manualmente i pescanti della cartuccia di reagenti.

- 1 Sulla schermata Home (Inizio), selezionare **Perform Wash** (Esecuzione lavaggio).
- 2 Selezionare **Raise Sippers** (Solleva pescanti).
- 3 Rimuovere la cartuccia di reagenti.



## Risoluzione degli errori d'impostazione corsa

Se durante la verifica pre-corsa una qualsiasi delle verifiche non viene superata, appare un'icona rossa **X** vicino all'elemento interessato. Sullo schermo viene visualizzato un messaggio che descrive l'errore e il modo per correggerlo.

Errore	Intervento
<b>X</b> Flow Rate Measured (Portata misurata)	<p>Si apre la schermata della portata. Utilizzare l'elenco a discesa o la tastiera sullo schermo per inserire quanto segue:</p> <ul style="list-style-type: none"> <li>• Solution (Soluzione): <b>PR2</b></li> <li>• Volume (Volume): <b>250</b></li> <li>• Aspirate Rate (Velocità di aspirazione): <b>2.500</b></li> <li>• Dispense Rate (Velocità di erogazione): <b>2.500</b></li> </ul> <p>Selezionare <b>Pump</b> (Pompa). Se l'errore permane, impostare il volume per pompare 500 µl di PR2 e ripetere il processo. Dopo l'erogazione dei fluidi, selezionare <b>Restart Check</b> (Riavvia verifica).</p> <p>Se la verifica pre-corsa viene eseguita correttamente, il pulsante <b>Start Run</b> (Avvia corsa) diventa attivo.</p> <p>Se di nuovo la verifica del flusso non viene superata, risistemare nella sua sede la cella a flusso per assicurare che il flusso non si interrompa a causa di un allineamento scorretto. Ispezionare la guarnizione della cella a flusso controllando che non ci siano particelle estranee o irregolarità.</p>
<b>X</b> Free Disk Space (Spazio libero su disco)	<p>Se lo spazio su disco è insufficiente, viene visualizzato un messaggio indicante lo spazio necessario. Usare la funzione <b>Manage Files</b> (Gestione file) per liberare lo spazio necessario sul computer dello strumento.</p>
<b>X</b> Network Connection Active (Connessione rete attiva)	<p>Verificare che il cavo di rete sia ben collegato allo strumento.</p> <p>Se la connessione alla rete non è ripristinata, selezionare <b>Reboot</b> (Riavvia) sulla schermata Manage Instrument (Gestione strumento) per riavviare il software.</p> <p>Se la connessione continua a non essere ripristinata, selezionare <b>Shut Down</b> (Spegnimento) sulla schermata Manage Instrument (Gestione strumento), quindi spegnere lo strumento utilizzando l'interruttore di alimentazione. Attendere almeno 60 secondi, quindi accendere lo strumento e avviare il software.</p>
<b>X</b> Primary Analysis Ready (Pronta l'analisi primaria)	<p>L'analisi primaria della corsa precedente non è terminata. Il tempo preimpostato concesso per la conclusione dell'analisi primaria è un'ora e sullo schermo compare un conteggio alla rovescia. Le opzioni sono di attendere un'ora o di selezionare <b>Terminate Analysis</b> (Terminare analisi). L'analisi secondaria si interrompe per ciascun ciclo incompleto.</p>
<b>X</b> Sample Sheet Present (Presente foglio campioni)	<p>Se non si è attribuito il nome al foglio campioni con l'ID della cartuccia di reagenti della corsa, lo strumento non è in grado di trovare automaticamente il foglio campioni appropriato. Navigare fino a raggiungere il foglio campioni della corsa.</p> <p>Se si è attribuito al foglio campioni un nome con l'ID della cartuccia di reagenti per la corsa, accertarsi che il foglio campioni sia collocato nella cartella foglio campioni predefinita. Controllare la posizione della cartella predefinita in Run Options (Opzioni corsa) sulla schermata Home (Inizio).</p> <p>Accertarsi che l'estensione file del foglio campioni sia *.csv.</p> <p>Se il foglio campioni risulta irreperibile, creame uno nuovo e copiarlo nella cartella del foglio campioni specificata in Run Options (Opzioni corsa).</p> <p>Dopo aver localizzato un foglio campioni, selezionare <b>Restart Check</b> (Riavvia verifica).</p>

## Risoluzione degli errori di lettura dell'etichetta RFID

Se il sistema non è in grado di leggere l'etichetta RFID di un materiale di consumo, è possibile ottenere un codice temporaneo di bypass dal sito Web Illumina. Un codice temporaneo di bypass scade dopo sette giorni.

- 1 Riprovare sempre una seconda volta l'operazione di lettura dell'etichetta RFID prima di continuare. Se l'errore di lettura dell'etichetta RFID si ripete, selezionare **Get Code** (Richiedi codice).
- 2 Da un computer dotato di accesso a Internet, andare alla pagina [my.illumina.com](http://my.illumina.com) e selezionare **Sign In** (Accedi) dalla barra degli strumenti che si trova nella parte superiore della pagina.
- 3 Accedere al proprio account Myllumina.  
Il nome dell'utente sostituisce il pulsante Sign In (Accedi) sulla barra degli strumenti.
- 4 Fare scorrere il cursore sopra il nome e selezionare **Account (Account)**. Nella colonna **My Tools** (I miei strumenti), fare clic su **MiSeq Self-Service** (Self-service MiSeq).
- 5 Sulla pagina MiSeq Self-Service (Self-service MiSeq), inserire il **numero di serie di MiSeq**.
- 6 Dall'elenco a discesa Type of Override Code (Tipo di codice di sovrascrittura), selezionare **RFID Override** (Sovrascrivi RFID).
- 7 Per generare il codice, selezionare **Get Code** (Ottieni codice).
- 8 Tornare all'interfaccia MCS e selezionare **Enter Code** (Immetti codice).
- 9 Utilizzando la tastiera sullo schermo, inserire il codice temporaneo di bypass, quindi selezionare **Next** (Avanti).
- 10 Inserire il numero del codice a barre della cella a flusso, del flacone di PR2 o della cartuccia di reagenti.

Materiale di consumo	Posizione del numero del codice a barre
Cella a flusso	Sopra il codice a barre sull'etichetta del contenitore della cella a flusso. I numeri del codice a barre della cella a flusso iniziano con A (standard), G (micro) oppure D (nano). Esempio: A0E61
Flacone di PR2	Sotto il codice a barre sull'etichetta del flacone di PR2. Esempio: MS0011881-PR2
Cartuccia di reagenti	Sotto il codice a barre sull'etichetta della cartuccia di reagenti. Esempio: MS0010744-300

- 11 Se si sta inserendo un codice di bypass per la cartuccia di reagenti, inserire il numero della versione del kit. Selezionare **Enter Reagent Kit Barcode** (Immetti codice a barre kit di reagenti) per inserire manualmente il numero del codice a barre della cartuccia di reagenti e il numero della versione del kit.



#### ATTENZIONE

L'inserimento di una versione errata del kit di reagenti può incidere negativamente sui dati di sequenziamento.

- 12 Selezionare **Enter** (Immetti).

## Esecuzione di Volume Test (Test volume)

Un'ostruzione nelle linee della fluidica può provocare scarsa erogazione dei reagenti e incidere sui risultati del sequenziamento. Nel caso si sospetti una possibile ostruzione dei tubi della fluidica, eseguire un test volume.

Un test volume verifica lo stato di integrità del sistema di fluidica stimando il volume tra le bolle al loro passaggio tra i sensori. Per eseguire un test volume, con una cella a flusso usata presente sul dispositivo, caricare con acqua da laboratorio il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio. Per eseguire il test, seguire le istruzioni sullo schermo.

- 1 Accertarsi che una cella a flusso usata sia caricata sullo strumento.

- 2 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Manage Instrument** (Gestione strumento).
- 3 Selezionare **System Check** (Verifica sistema).
- 4 Selezionare **Conduct Volume Test** (Esegui test volume), quindi selezionare **Next** (Avanti).
- 5 Riempire ciascun serbatoio del vassoio di lavaggio con 6 ml di acqua da laboratorio.
- 6 Riempire con 350 ml di acqua da laboratorio il flacone di lavaggio da 500 ml.
- 7 Caricare sullo strumento il vassoio di lavaggio e il flacone di lavaggio.
  - a Aprire lo sportello dello scomparto reagenti e lo sportello del vano refrigerato per i reagenti e fare scorrere il vassoio di lavaggio all'interno del vano refrigerato per i reagenti finché non si arresta. Chiudere lo sportello del vano refrigerato per i reagenti.
  - b Sollevare la maniglia del pettine di aspirazione finché non si blocca in sede e caricare il flacone di lavaggio.
  - c Rimuovere il flacone degli scarti ed eliminarne il contenuto seguendo le opportune procedure di smaltimento. Riposizionare il flacone degli scarti nello scomparto reagenti.
  - d Abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nei flaconi di lavaggio e degli scarti.
- 8 Seguendo le istruzioni sullo schermo, rimuovere le eventuali goccioline dal pescante del flacone di lavaggio, nel modo seguente:
  - a Sollevare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione e verificare se sul pescante del flacone di lavaggio sia presente una grossa gocciolina d'acqua.
  - b Abbassare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione nell'acqua, abbastanza profondamente da consentire la rimozione della gocciolina tramite tensione superficiale.
  - c Sollevare lentamente la maniglia del pettine di aspirazione e verificare se sul pescante del flacone di lavaggio sia presente una grossa gocciolina d'acqua.
  - d Abbassare lentamente e completamente la maniglia del pettine di aspirazione, accertandosi che i pescanti vengano abbassati nel flacone di lavaggio e nel flacone degli scarti.
- 9 Selezionare **Next** (Avanti).  
Una volta terminato il test volume, sullo schermo appaiono i risultati.  
Nel caso il test non sia stato superato con successo, eseguire un lavaggio di manutenzione. Vedere [Esecuzione di un lavaggio di manutenzione a pagina 36](#).
- 10 Al termine del lavaggio di manutenzione, ripetere il test volume.

## Misurazione dei volumi di lavaggio previsti

La misurazione dei volumi di lavaggio previsti conferma che la fluidica di lavaggio sta funzionando in modo efficiente.

- 1 Prima d'iniziare un lavaggio, svuotare il flacone degli scarti.
- 2 Al termine del lavaggio, misurare il volume di lavaggio nel flacone degli scarti.

Tipo di lavaggio	Volume di lavaggio previsto
Lavaggio post-corsa	17,25 ml
Lavaggio post-corsa che include un lavaggio della linea del template	25,5 ml

Tipo di lavaggio	Volume di lavaggio previsto
Lavaggio di standby	46 ml
Lavaggio di manutenzione	51,75 ml

## Configurazione delle impostazioni del sistema

MCS comprende diverse schermate che danno accesso ai comandi per la configurazione del sistema. Di solito le impostazioni software sono configurate durante l'installazione di MiSeq.

### Configurazione delle impostazioni di IP e DNS

Se necessario, a causa di una modifica della rete o presso la sede, configurare l'indirizzo IP e gli indirizzi del server DNS.

- 1 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Manage Instrument** (Gestione strumento).
- 2 Selezionare **System Settings** (Impostazioni sistema).
  - ▶ Selezionare **Obtain an IP address automatically** (Ottieni un indirizzo IP automaticamente) oppure **Use the following IP address** (Utilizza l'indirizzo IP seguente).  
Se viene selezionato **Use the following IP address** (Utilizza l'indirizzo IP seguente), immettere un indirizzo IP, una maschera di sottorete e un gateway predefinito.
  - ▶ Selezionare **Obtain DNS address automatically** (Ottieni un indirizzo DNS automaticamente) oppure **Use the following DNS server addresses** (Utilizza gli indirizzi server DNS seguenti).  
Se viene selezionato **Use the following DNS server addresses** (Utilizza gli indirizzi server DNS seguenti), immettere un indirizzo server DNS preferito e alternativo.
- 3 Selezionare **Save and Continue** (Salva e continua).

### Modifica delle credenziali di sistema

Modificando il nome utente e la password del sistema sulla schermata System Settings (Impostazioni di sistema), si aggiornano anche le credenziali di MiSeq Reporter e BaseSpace o BaseSpace Onsite.

- 1 Nella schermata Home (Inizio), selezionare **Manage Instrument** (Gestione strumento).
- 2 Selezionare **System Settings** (Impostazioni sistema).
- 3 Selezionare **Save and Continue** (Salva e continua) per passare alla terza schermata nella serie di schermate.
- 4 Selezionare **This account** (Questo account).
- 5 Inserire il nome del dominio (ad es. Domain\MiSeq1) e la password.
- 6 Selezionare **Save and Continue** (Salva e continua).

# Appendice B File e cartelle di output

Cartelle delle corse .....	51
Contenuti della cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq) .....	51
Cartelle e file di RTA .....	53

## Cartelle delle corse

Ogni corsa su MiSeq genera tre cartelle della corsa, ciascuna con uno scopo specifico:

- ▶ **D:\Illumina\MiSeqTemp**: all'inizio della corsa, sul disco locale del computer dello strumento viene scritta una cartella temporanea che è utilizzata come area di lavoro per MCS e RTA. Non è necessario accedere alla cartella MiSeqTemp (File temporanei di MiSeq). Dopo sette giorni il contenuto di questa cartella viene eliminato.
- ▶ **D:\Illumina\MiSeqOutput**: RTA copia file dalla cartella MiSeqTemp (File temporanei di MiSeq) alla cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq). Mentre vengono generati i file dell'analisi primaria, RTA ricopia i file nella cartella MiSeqTemp (File temporanei di MiSeq) e popola la cartella Analysis (Analisi). Le immagini di messa a fuoco e le immagini in miniatura non sono copiate nella cartella MiSeqAnalysis (Analisi di MiSeq). Vedere *Cartelle e file di RTA a pagina 53*.
- ▶ È possibile modificare il percorso della cartella di output nel campo Output Folder (Cartella di output) della schermata Run Options (Opzioni corsa). Per maggiori informazioni, vedere *Impostazione delle posizioni predefinite per le cartelle a pagina 15*.
- ▶ **D:\Illumina\MiSeqAnalysis**: al completamento dell'analisi RTA, MiSeq Reporter accede alla cartella MiSeqAnalysis (Analisi MiSeq) sul disco locale dello strumento per iniziare l'analisi secondaria. Tutti i file scritti nella cartella MiSeqAnalysis (Analisi di MiSeq) vengono copiati nella cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq). Per maggiori informazioni, vedere *Contenuti della cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq) a pagina 51*.

Se per l'analisi si sta utilizzando BaseSpace senza replicare localmente l'analisi, la cartella MiSeqAnalysis (Analisi di MiSeq) sul disco locale dello strumento è vuota.

## Denominazione della cartella della corsa al livello base

Il nome della cartella della corsa al livello base individua la data della corsa, il numero dello strumento e la cella a flusso utilizzata per la corsa.

Per impostazione predefinita, il nome della cartella utilizza il seguente formato:

AAMMGG\_<NumeroStrumento>\_<Numero Corsa>\_<CodiceBarreCellaFlusso>

Il numero della corsa viene incrementato di uno ogni volta che si esegue una corsa su un dato strumento.

## Contenuti della cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq)

Al termine dell'analisi RTA, la cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq) viene popolata con i file necessari all'analisi secondaria con MiSeq Reporter. Al termine dell'analisi secondaria, le cartelle MiSeqOutput (Output di MiSeq) e MiSeqAnalysis (Analisi di MiSeq) sono identiche fatta eccezione per la cartella MiSeqOutput (Output di MiSeq) che contiene due sottocartelle per i file delle immagini: Images (Immagini) e Thumbnail\_Images (Immagini\_Miniatura). Queste sottocartelle non sono richieste per l'analisi secondaria.

## File

I file che sono copiati nelle cartelle dell'output e dell'analisi includono:

- ▶ **SampleSheet.csv**: fornisce i parametri per la corsa e la successiva analisi. All'avvio della corsa, il foglio campioni viene copiato nella cartella al livello base e rinominato come SampleSheet.csv. Le copie vengono scritte in Data\Intensities and Data\Intensities\BaseCalls.
- ▶ **runParameters.xml**: contiene un riepilogo dei parametri della corsa e le informazioni sui componenti della corsa, ad esempio l'etichetta RFID della cella a flusso e dei reagenti associati alla corsa.
- ▶ **RunInfo.xml**: contiene informazioni ad alto livello sulla corsa, ad esempio il numero di letture e cicli nella corsa di sequenziamento e se si tratta o meno di una lettura indicizzata.

## Cartelle

Le cartelle che sono copiate nelle cartelle dell'output e dell'analisi includono le seguenti cartelle generate durante la corsa di sequenziamento:

- ▶ **<Nome cartella corsa>\Config**: contiene i file di configurazione per la corsa.
- ▶ **<Nome cartella corsa>\Data**: contiene le sottocartelle Intensities (Intensità), BaseCalls (Identificazione delle basi) e Alignment (Allineamento). I dati generati da MiSeq Reporter sono posti nella sotto-cartella Alignment (Allineamento).
- ▶ **<Nome cartella corsa>\Data\RTA Logs**: contiene i file di registro che descrivono ogni fase eseguita da RTA per ogni Read (Lettura).
- ▶ **<Nome cartella corsa>\Data\Intensities\BaseCalls**: contiene le sottocartelle con i file di identificazione delle basi (\*.bcl), i file delle matrici e i file di determinazione delle fasi (phasing). Durante l'analisi secondaria, MiSeq Reporter scrive i file FASTQ in questa cartella. Per maggiori informazioni, vedere *MiSeq Reporter Software Guide (documento n. 15042295)* (Guida del software MiSeq Reporter).
- ▶ **<Nome cartella corsa>\Recipe**: contiene la ricetta utilizzata per la corsa.
- ▶ **<Nome cartella corsa>\Logs**: contiene i file di registro che descrivono ciascuna fase eseguita dallo strumento per ciascun ciclo.
- ▶ **<Nome cartella corsa>\InterOp**: contiene i file binari utilizzati da Sequencing Analysis Viewer (SAV) per riassumere diverse metriche dell'analisi primaria come densità cluster, intensità, punteggi qualitativi e qualità complessiva della corsa.

Tutti gli altri file e cartelle create nella cartella temporanea della corsa non vengono copiati nelle cartelle dell'output e dell'analisi. Essi contengono file temporanei che non sono necessari per l'analisi o per la risoluzione dei problemi.

Durante l'analisi secondaria, MiSeq Reporter aggiunge altre cartelle, come la cartella Alignment (Allineamento). Per maggiori informazioni, vedere *MiSeq Reporter Software Guide (documento n. 15042295)* (Guida del software MiSeq Reporter).

## Cartelle e file di RTA

La seguente tabella descrive le cartelle e i file generati dal software di analisi in tempo reale (Real-Time Analysis, RTA) durante l'analisi primaria. Molti di questi file sono utilizzati per l'analisi secondaria eseguita dal software MiSeq Reporter.

File principale	Sottocartella	Descrizione
RTAComplete.txt	Cartella della corsa (livello base)	Un file dei marker generato al termine dell'analisi di identificazione delle basi. La presenza di questo file innesca l'avvio dell'analisi secondaria.
SampleSheet.csv	Cartella della corsa (livello base)	Questo file viene letto e copiato nella cartella della corsa prima che la corsa abbia inizio e utilizzato in seguito per l'analisi secondaria.
RunInfo.xml	Cartella della corsa (livello base)	Identifica i limiti delle letture (comprese le letture indici) e la tabella della qualità selezionata per la corsa.
File *.bcl	Data\ Intensities\BaseCalls\ L001\CX.X	Ogni file *.bcl contiene i risultati dell'identificazione delle basi e della valutazione qualitativa delle basi eseguite dal software RTA per un ciclo e una tile.
File *.stats	Data\ Intensities\BaseCalls\ L001\CX.X	I file *.stats contengono le statistiche delle identificazioni delle basi eseguite dal software RTA per un dato ciclo/tile.
File *.filter	Data\ Intensities\BaseCalls	I file *.filter contengono i risultati del filtraggio per tile.
*.txt	Data\RTALogs	I file di registro dell'analisi primaria.
File *.cif	Data\ Intensities\L001\CX.X	Ogni file *.cif binario contiene i risultati dell'analisi delle immagini eseguita dal software RTA per un ciclo e una tile. Per maggiori informazioni, vedere <i>Numerazione delle tile della cella a flusso a pagina 54</i> .
File *.locs	Data\ Intensities\BaseCalls\ L001	Riporta le coordinate dei cluster. Ogni file *.locs rappresenta una tile.
File *.jpg	Thumbnail_Images\ L001\CX.X	Immagini in miniatura generate per ogni ciclo e base, utilizzabili per la risoluzione dei problemi di una corsa. Questi file sono utilizzati per l'analisi delle immagini e non sono copiati nella cartella Analysis (Analisi). Per i nomi dei file delle immagini, vedere <i>Numerazione delle tile della cella a flusso a pagina 54</i> .

## Tile della cella a flusso

Durante la corsa di sequenziamento, la singola corsia della cella a flusso è sottoposta a imaging in base a piccole aree di imaging denominate tile. Tutte le celle a flusso MiSeq presentano una singola corsia, ma il numero di tile varia in base al tipo di cella a flusso in uso.

Cella a flusso	MiSeq Reagent Kit	Tile	Superficie di imaging	Tile totali sottoposte a imaging
Cella a flusso standard	MiSeq Reagent Kit, v3	19 tile	Superiore e inferiore	38 tile in totale
Cella a flusso PGS	MiSeq Reagent Kit v3-PGS	19 tile	Superiore e inferiore	38 tile in totale
Cella a flusso standard	MiSeq Reagent Kit, v2	14 tile	Superiore e inferiore	28 tile in totale
Cella a flusso micro	MiSeq Reagent Micro Kit, v2	4 tile	Superiore e inferiore	8 tile in totale
Cella a flusso nano	MiSeq Reagent Nano Kit, v2	2 tile	Solo superiore	2 tile in totale

Quando le tile sono sottoposte a imaging durante la corsa di sequenziamento, viene generato un file di output per ciascuna tile. Per maggiori informazioni, vedere *Numerazione delle tile della cella a flusso a pagina 54*.

## Numerazione delle tile della cella a flusso

Quando, durante la corsa di sequenziamento, le tile sono sottoposte a imaging, per ogni tile viene generato un file di output al quale è assegnato un nome con il numero della tile in un formato a quattro cifre. Fatta eccezione per la cella a flusso nano, le celle a flusso sono sottoposte a imaging sulla superficie superiore e inferiore. I file di output per ciascuna tile vengono posti nella cartella della corsa in Data\Intensities\BaseCalls\L001.

Cella a flusso	MiSeq Reagent Kit	Tile	Superficie di imaging	Nomi dei file delle immagini
Cella a flusso standard Cella a flusso PGS	MiSeq Reagent Kit, v3	1-19	Parte superiore	Da 1.101 a 1.119
		1-19	Inferiore	Da 2.101 a 2.119
Cella a flusso standard	MiSeq Reagent Kit, v2	1-14	Parte superiore	Da 1.101 a 1.114
		1-14	Inferiore	Da 2.101 a 2.114
Cella a flusso micro	MiSeq Reagent Micro Kit, v2	1-4	Parte superiore	Da 1.101 a 1.104
		1-4	Inferiore	Da 2.101 a 2.104
Cella a flusso nano	MiSeq Reagent Nano Kit, v2	1-2	Solo superiore	Da 1.101 a 1.102



# Indice

## A

- aggiornamento software 14, 41-42
- analisi
  - opzioni 7
- analisi secondaria 8
- arresto di una corsa 46
- assistenza clienti 59
- assistenza tecnica 59
- avvertenze 6

## B

- BaseSpace
  - aggiornamenti 14
  - connessione 7
  - credenziali 50
- BaseSpace Onsite
  - connessione 7
  - credenziali 50
  - posizione server 13

## C

- caricamento dei reagenti
  - cartuccia 25
  - PR2 24
- cartella delle corse
  - definizione 5
- Cartella InterOp 52
- cartelle corsa
  - temporanea, output, analisi 51
- cartelle della corsa
  - file analisi primaria 53
- cartelle delle corse
  - contenuti 51
  - denominazione 51
  - gestione 40
- cartuccia di reagenti 10
  - contenuti 11
  - ispezione 19
  - scongelo 19
- cella a flusso
  - colore tappo 10
  - designatore lettere 47
  - numerazione tile 54
  - panoramica 10
  - pulizia 21
  - singola corsia 9

- tile 53
- cicli in una lettura 17
- CompletedJobInfo.xml 8
- componenti
  - cartuccia di reagenti 10
  - cella a flusso 10, 53
  - modulo ottico 3
  - scomparto dei reagenti 3
  - scomparto della cella a flusso 3
  - scomparto reagenti 4
- connessione rete 47
- coperchio a scatto 3
- copia di file e cartelle 40

## D

- documentazione 2, 59
- durata della corsa 17

## E

- eliminazione di file e cartelle 40
- errori 6

## F

- file InterOp 6
- file manifest
  - copia sullo strumento 40
  - definizione 5
- flacone degli scarti 4
- fluidica
  - lavaggio 36, 38
  - risoluzione dei problemi 48
- flusso di lavoro 18
  - durata della corsa 17
- flusso di lavoro di analisi
  - definizione 5
- flusso di lavoro VeriSeq PGS
  - analisi secondaria 7
  - cella a flusso 10
  - frequenza manutenzione 35
  - replica analisi localmente 13
- foglio campioni
  - copia sullo strumento 40
  - definizione 5
  - modifica 26
  - nella cartella della corsa 53
  - non trovato 47

formazione 2

## G

generazione della griglia 9, 29  
generazione di cluster 18  
genoma di riferimento  
  formato file 5  
gruppo software 6  
guida, tecnica 59

## I

icone 7  
  sensore 7  
icone lampeggianti 6  
icone, lampeggianti 6  
impostazioni della rete 50  
impostazioni di sistema 50  
indicatori di attività 7  
indicatori di rilevamento 7  
indirizzo IP 50  
inizializzazione 47

## L

lavaggi  
  beneficio di 29  
  impostazioni lavaggio post-corsa 13  
  manutenzione 36  
  post-corsa 29  
  preparazione allo spegnimento 42  
  preparazione allo stato inattivo (idle) 38  
  standby 38  
  volumi previsti 49  
lavaggi post-corsa 29  
lavaggio di manutenzione 36  
lavaggio di standby 38  
lavaggio linea del template 29  
linee guida acqua da laboratorio 16  
Local Run Manager 1  
lunghezza lettura 17

## M

maniglia del pettine di aspirazione 4  
materiali di consumo 15  
  acqua da laboratorio 16  
MiSeq Reporter  
  panoramica 8

MiSeq Self-Service (Self-service MiSeq) 47  
modulo ottico 3  
monitoraggio della corsa 27

## N

nome account di sistema 50  
nome dominio 50  
notifiche e-mail 14  
numerazione tile 54

## O

opzioni corsa 13-15

## P

pagine di supporto 2  
password, modifica 50  
percorsi cartelle  
  per la corsa attuale 27  
porre lo strumento in stato inattivo (idle) 38  
posizioni cartelle  
  impostazioni predefinite 15  
PR2, caricamento 24

## R

raggruppamento file di registro 40-41, 43  
reagenti  
  confezione 9  
Real-Time Analysis 1, 6  
  cartella corsa 51  
  risultati 53  
Real-Time Analysis (RTA)  
  generazione della griglia 29  
RFID  
  cartuccia dei reagenti 25  
  monitoraggio 1  
  PR2 24  
  risoluzione dei problemi 47  
ricette, gestione 40  
riferimenti genomici 40  
risoluzione dei problemi  
  errori impostazione corsa 47  
  file specifici per la corsa per 43  
  fluidica 48  
  raggruppamento file di registro 40-41, 43  
  RFID 47  
RTAcomplete.txt 53

RunInfo.xml 52-53  
runParameters.xml 52

## S

schermata Sequencing (Sequenziamento) 27  
schermate per l'impostazione della corsa 21  
scomparto dei reagenti 3  
scomparto della cella a flusso 3  
scomparto reagenti 4  
sensore sportello cella a flusso 7  
Sequencing Analysis Viewer 27  
Sequencing Analysis Viewer (SAV) 9  
sequenziamento 18  
Servizio di monitoraggio Illumina Proactive 14  
software  
    aggiornamento 41-42  
    durata della corsa 17  
    verifica dello spazio su disco 9  
software BlueFuse Multi 7, 13  
software di controllo 6  
sospensione di una corsa 45  
spazio su disco  
    spazio su disco insufficiente 47  
    verifica 9  
spegnimento dello strumento 42  
spostamento di file e cartelle 40  
status.xml 53

## U

Universal Copy Service 6

## V

vano refrigerato dei reagenti, temperatura 7  
Volume Test (Test volume) 48  
volumi di lavaggio 49



# Assistenza Tecnica

Per l'assistenza tecnica, contattare l'Assistenza Tecnica Illumina.

Sito Web: [www.illumina.com](http://www.illumina.com)  
E-mail: [techsupport@illumina.com](mailto:techsupport@illumina.com)

## Numeri di telefono dell'Assistenza clienti Illumina

Area geografica	Gratuito	Locale
Nord America	+1.800.809.4566	
Australia	+1.800.775.688	
Austria	+43 800006249	+43 19286540
Belgio	+32 80077160	+32 34002973
Cina	400.066.5835	
Danimarca	+45 80820183	+45 89871156
Finlandia	+358 800918363	+358 974790110
Francia	+33 805102193	+33 170770446
Germania	+49 8001014940	+49 8938035677
Giappone	0800.111.5011	
Hong Kong	800960230	
Irlanda	+353 1800936608	+353 016950506
Italia	+39 800985513	+39 236003759
Norvegia	+47 800 16836	+47 21939693
Nuova Zelanda	0800.451.650	
Paesi Bassi	+31 8000222493	+31 207132960
Regno Unito	+44 8000126019	+44 2073057197
Singapore	+1.800.579.2745	
Spagna	+34 911899417	+34 800300143
Svezia	+46 850619671	+46 200883979
Svizzera	+41 565800000	+41 800200442
Taiwan	00806651752	
Altri paesi	+44.1799.534000	

**Schede dei dati di sicurezza (Safety Data Sheet, SDS):** sono disponibili sul sito Web Illumina all'indirizzo [support.illumina.com/sds.html](http://support.illumina.com/sds.html).

**Documentazione dei prodotti:** la documentazione dei prodotti in formato PDF può essere scaricata dal sito Web Illumina. Andare al sito [support.illumina.com](http://support.illumina.com), selezionare un prodotto, quindi fare clic su **Documentation & Literature** (Documentazione e letteratura).





Illumina

5200 Illumina Way

San Diego, California 92122 U.S.A.

+1.800.809.ILMN (4566)

+1.858.202.4566 (fuori dal Nord America)

[techsupport@illumina.com](mailto:techsupport@illumina.com)

[www.illumina.com](http://www.illumina.com)

**Solo a uso di ricerca. Non usare in procedimenti diagnostici.**

© 2018 Illumina, Inc. Tutti i diritti riservati.

**illumina®**